

# 招待講演 及び 口頭発表 プログラム

## 一般講演

- 13:00 O-01 (P-007) **乳酸菌 *Lactobacillus brevis* KB290 のゲノム解析と次世代シーケンサーを用いた同一株内の多型解析**  
 ○深尾匡憲<sup>1</sup>、大島健志朗<sup>2</sup>、森田英利<sup>3</sup>、須田瓦<sup>2</sup>、金錫元<sup>2</sup>、鈴木重徳<sup>1</sup>、矢賀部隆史<sup>1</sup>、矢嶋信浩<sup>1</sup>、服部正平<sup>2</sup> (<sup>1</sup>カゴメ・総研、<sup>2</sup>東大院・新領域、<sup>3</sup>麻布大・獣医)
- 13:12 O-02 (P-030) **水田土壌から分離した *Azoarcus* 属脱窒細菌株のゲノム解析**  
 ○西澤智康<sup>1</sup>、多胡香奈子<sup>1</sup>、大島健志朗<sup>2</sup>、石井聡<sup>1</sup>、大塚重人<sup>1</sup>、服部正平<sup>2</sup>、妹尾啓史<sup>1</sup> (<sup>1</sup>東大院・農生科、<sup>2</sup>東大院・新領域)
- 13:24 O-03 (P-001) **未培養系統群アーキアの全ゲノム解析とその真核生物型ユビキチンシステム**  
 ○布浦拓郎<sup>1</sup>、高木善弘<sup>1</sup>、角太淳吾<sup>1</sup>、西真郎<sup>1</sup>、菅原潤一<sup>2,3</sup>、風間宏美<sup>1</sup>、池甲珠<sup>1</sup>、服部正平<sup>4</sup>、金井昭夫<sup>2,3</sup>、跡見晴幸<sup>5</sup>、高井研<sup>1</sup>、高見英人<sup>1</sup> (<sup>1</sup>海洋研究開発機構・深海・地殻内、<sup>2</sup>慶応大・先端生命研、<sup>3</sup>慶応大院・政策メディア、<sup>4</sup>東大院・新領域、<sup>5</sup>京都大・工)
- 13:36 O-04 (P-002) **ナギナタシロウリガイ細胞内共生菌のゲノム解析**  
 高木善弘<sup>1</sup>、○吉田尊雄<sup>1</sup>、島村繁<sup>1</sup>、塚原正俊<sup>2</sup>、鼠尾まい子<sup>2</sup>、下地真紀子<sup>2</sup>、丸山正<sup>1</sup> (<sup>1</sup>海洋研究開発機構、<sup>2</sup>トロピカルテクノセンター)
- 13:48 O-05 (P-004) **ミカンキジラミ必須共生細菌 2 種のゲノム解析**  
 ○中鉢淳<sup>1</sup>、大島健志朗<sup>2</sup>、宮城島進也<sup>1</sup>、服部正平<sup>2</sup>、深津武馬<sup>3</sup> (<sup>1</sup>理研・基幹研、<sup>2</sup>東大院・新領域、<sup>3</sup>産総研・ゲノムファクトリー)
- 14:00 O-06 (P-005) **ゾウムシ類の細胞内共生細菌ナルドネラの極小ゲノムの全塩基配列決定と比較ゲノム解析**  
 ○二河成男<sup>1</sup>、安佛尚志<sup>2</sup>、細川貴弘<sup>2</sup>、古賀隆一<sup>2</sup>、孟憲英<sup>2</sup>、大島健志朗<sup>3</sup>、服部正平<sup>3</sup>、深津武馬<sup>2</sup> (<sup>1</sup>放送大、<sup>2</sup>産総研、<sup>3</sup>東大院・新領域)
- 14:12 O-07 (P-032) **次世代シーケンサーによるラン藻 *Synechocystis* sp. PCC 6803 亜系株のリシーケンス解析**  
 ○兼崎友<sup>1</sup>、志波優<sup>1</sup>、渡辺智<sup>1,2</sup>、池内昌彦<sup>3</sup>、佐藤直樹<sup>3</sup>、吉川博文<sup>1,2</sup> (<sup>1</sup>東農大・NGRC、<sup>2</sup>東農大・応生科バイオ、<sup>3</sup>東大院・総合文化)
- 14:24 O-08 (P-054) **補色順化を制御するシアノバクテリオクロムの光変換のしくみ**  
 ○広瀬侑<sup>1</sup>、Nathan C. Rockwell<sup>2</sup>、Shelley Martin<sup>2</sup>、成川礼<sup>3</sup>、猪股勝彦<sup>4</sup>、Clark J. Lagarias<sup>2</sup>、池内昌彦<sup>1,3</sup> (<sup>1</sup>東大院・理、<sup>2</sup>カリフォルニア大・デイビス校、<sup>3</sup>東大院・総合文化、<sup>4</sup>金沢大院・理)
- 14:36 O-09 (P-055) **好気性光合成細菌 *Roseobacter denitrificans* OCh114 における光合成関連遺伝子の制御因子の機能解析**  
 ○木村真人、石井正治、五十嵐泰夫、新井博之 (東大院・農生科)
- 14:48 O-10 (P-051) **シアノバクテリア *Anabaena* sp. PCC 7120 における糖代謝制御**  
 ○得平茂樹、大森正之 (中央大・生命科学)
- 15:00 O-11 (P-145) **植物病原性細菌ファイトプラズマの宿主転換に伴う遺伝子発現制御**

○石井佳子、柿澤茂行、三浦千裕、大島研郎、難波成任（東大）

- 15:12 O-12 (P-039) **プラスミド上にコードされる複数種の核様体タンパク質の協調的機能の解析**  
武田俊春<sup>1</sup>、尹忠鉄<sup>2</sup>、新谷政己<sup>1,3</sup>、山根久和<sup>1</sup>、○野尻秀昭<sup>1,2</sup>（<sup>1</sup>東大・生物学セ、<sup>2</sup>東大院・農生科・アグリバイオ、<sup>3</sup>理研・BRC-JCM）
- 15:24 O-13 (P-052) **プラスミド pCAR1 にコードされる H-NS 様因子 Pmr の多量体形成機構の解明**  
○鈴木千穂<sup>1</sup>、尹忠鉄<sup>1,2</sup>、寺田透<sup>2</sup>、山根久和<sup>1</sup>、野尻秀昭<sup>1,2</sup>（<sup>1</sup>東大・生物学セ、<sup>2</sup>東大院・農生科・アグリバイオ）
- 15:36 O-14 (P-112) **プラスミドが宿主の表現型に与える影響の網羅的検出と核様体タンパク質の関与の検討**  
○高橋裕里香<sup>1</sup>、武田俊春<sup>1</sup>、新谷政己<sup>1,2</sup>、山根久和<sup>1</sup>、野尻秀昭<sup>1</sup>（<sup>1</sup>東大・生物学セ、<sup>2</sup>理研 BRC-JCM）
- 15:48 O-15 (P-033) ***Pseudomonas fluorescens* Pf0-1(pCAR1)株のモデル汚染環境における遺伝子進化**  
○新谷政己<sup>1,2</sup>、松本貴嗣<sup>3</sup>、大熊盛也<sup>1</sup>、吉川博文<sup>3,4</sup>、野尻秀昭<sup>2</sup>（<sup>1</sup>理研・BRC-JCM、<sup>2</sup>東大・生物学セ、<sup>3</sup>東農大・ゲノムセンター、<sup>4</sup>東農大・応生科）
- 16:00 O-16 (P-111) **IncP-7群プラスミドpCAR1が宿主のバイオフィーム形成に与える影響**  
○李昇昱、高橋裕里香、大浦啓<sup>1</sup>、山根久和、野村暢彦<sup>1</sup>、野尻秀昭（東大・生物学セ・<sup>1</sup>筑波大院・生命環境）

### 3分トーク 1

---

- 16:20 S-01 (P-009) **ミヤコグサ根粒菌 *Mesorhizobium loti* における共生アイランドの比較解析**  
○眞板寛子<sup>1,2</sup>、平川英樹<sup>1</sup>、中村保一<sup>1,3</sup>、金子貴一<sup>1,4</sup>、佐伯和彦<sup>5</sup>、田畑哲之<sup>1</sup>、佐藤修正<sup>1,2</sup>（<sup>1</sup>かずさ DNA 研・植物ゲノム、<sup>2</sup>東北大院・生命科学、<sup>3</sup>国立遺伝研・遺伝情報、<sup>4</sup>京産大・総合生命科学、<sup>5</sup>奈良女子大・理）
- 16:23 S-02 (P-011) **納豆菌特異的ファージφNIT1 のゲノム解析**  
○尾崎達郎<sup>1</sup>、木村啓太郎<sup>2</sup>、金子淳<sup>1</sup>（<sup>1</sup>東北大院・農・生物産業創成、<sup>2</sup>食総研）
- 16:26 S-03 (P-013) **宿主遺伝子特異的な共生不和合性をもつダイズ根粒菌のゲノム解析**  
○津久井隆裕<sup>1</sup>、金子貴一<sup>2</sup>、佐藤修正<sup>3</sup>、山田学<sup>3</sup>、板倉学<sup>1</sup>、山下明史<sup>1</sup>、三井久幸<sup>1</sup>、江田志磨<sup>1</sup>、南澤究<sup>1</sup>（<sup>1</sup>東北大院・生命科学、<sup>2</sup>京産大、<sup>3</sup>かずさ DNA 研）
- 16:29 S-04 (P-015) **ゲノムアセンブラーの新規開発**  
○梶谷嶺、野口英樹、伊藤武彦（東工大・生命理工・生命情報）
- 16:32 S-05 (P-061) **好気性光合成細菌 *Roseobacter denitrificans* OCh114 の光酸化ストレス防御に関わるσ因子の機能解析**  
○青山晴菜<sup>1</sup>、木村真人<sup>2</sup>、石井正治<sup>2</sup>、五十嵐泰夫<sup>2</sup>、新井博之<sup>2</sup>（<sup>1</sup>東大・農、<sup>2</sup>東大院・農生科）
- 16:35 S-06 (P-063) **有機塩素系殺虫剤 gamma-HCH 分解細菌 *Sphingobium japonicum* UT26 株内にて転移する挿入配列検出系の構築**  
○西岡ましほ、田端理朗、大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝（東北大院・生命科

- 学)
- 16:38 S-07 (P-065) **絶対光要求性シアノバクテリアにおけるシグマ因子を介したエネルギー飢餓条件下での概日転写リズム: 夜間の遺伝子発現制御メカニズムの解析**  
○細川徳宗<sup>1</sup>、畠山哲央<sup>1</sup>、小島崇<sup>1</sup>、伊藤浩史<sup>1,2</sup>、岩崎秀雄<sup>1,3</sup> (<sup>1</sup>早大院・先進理工、<sup>2</sup>お茶大・アカプロ、<sup>3</sup>科技機構さきがけ)
- 16:41 S-08 (P-067) ***Synechocystis* がもつヒスチジキナーゼ Hik2 のシグナル検知機構の解析**  
○古田島知則、白岩善博、鈴木石根 (筑波大院・生命環境)
- 16:44 S-09 (P-069) ***Acidovorax* sp. KKS102 におけるカタボライト抑制メカニズムの研究**  
○小沼かおり、大坪嘉行、鈴木信太郎、永田裕二、津田雅孝 (東北大院・生命科学)
- 16:47 S-10 (P-071) **枯草菌 *sigA* 転写制御株における胞子形成誘発機構の解析**  
○唐木智充<sup>1</sup>、須永愛<sup>2</sup>、板本英恵<sup>2</sup>、山下湖<sup>2</sup>、朝井計<sup>2</sup> (<sup>1</sup>埼玉大・理・分子生物、<sup>2</sup>埼玉大・院理工)
- 16:50 S-11(P-073) **受容菌のリン酸基転移系による IncP-9 プラスミド NAH7 の接合伝達制御機構**  
○井上慧、宮崎亮、宮腰昌利、大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝 (東北大院・生命科学)
- 16:53 S-12 (P-075) **ミヤコグサ根粒菌の宿主植物への侵入に重要な *cep* 遺伝子の機能解析**  
○菅原智史<sup>1</sup>、川原田泰之<sup>1</sup>、松本貴嗣<sup>2</sup>、志波優<sup>2</sup>、吉川博文<sup>3</sup>、江田志磨<sup>1</sup>、三井久幸<sup>1</sup>、南澤究<sup>1</sup> (<sup>1</sup>東北大院・生命科学、<sup>2</sup>東農大・ゲノムセンター、<sup>3</sup>東農大・応用生物科学)
- 16:56 S-13 (P-077) **PCB 分解 *Rhodococcus* 属細菌の glucose および fructose 取り込み系の同定と解析**  
○荒木直人<sup>1</sup>、宮内啓介<sup>2</sup>、笠井大輔<sup>1</sup>、政井英司<sup>1</sup>、福田雅夫<sup>1</sup> (<sup>1</sup>長岡技科大・生物、<sup>2</sup>東北学院大・環境建設)
- 16:59 S-14 (P-089) ***Sphingobium* sp. MI1205 株由来の脱ハロゲン酵素 LinB\_MI の beta-HCH 分解活性に重要なアミノ酸残基の同定**  
○森内良太、大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝 (東北大院・生命科学)
- 17:02 S-15 (P-091) **超好熱アーキア *Sulfolobus tokodaii* のホモセリン脱水素酵素の機能解析**  
○石崎清加<sup>1</sup>、吉宗一晃<sup>2</sup>、河原林裕<sup>2</sup>、土居克実<sup>3</sup>、大島敏久<sup>3</sup> (<sup>1</sup>九大院・生資環、<sup>2</sup>九大院・農・極限環境ゲノム機能、<sup>3</sup>九大院・農・生物機能)
- 17:05 S-16 (P-093) **SphR を介した *Synechocystis* sp. PCC6803 における酸耐性機構の解析**  
○浅倉良介<sup>1</sup>、田中優<sup>1</sup>、久保裕子<sup>1</sup>、木村真由湖<sup>1</sup>、森山淳<sup>1</sup>、内山純爾<sup>2</sup>、太田尚孝<sup>1,2</sup> (<sup>1</sup>東理大・理、<sup>2</sup>東理大・総研・RNA 科学研究センター)
- 17:08 S-17 (P-095) **大腸菌における光合成機能の再構成**  
○藤原弘平、城本史寛、岩本明、本多弘典、篠田卓弥、永島賢治、加藤潤一 (首都大院・理工・生命)
- 17:11 S-18 (P-103) **マラリア原虫の感染調節タンパクと病原性について**  
○白川康一(京大院・医・病原細菌学)
- 17:14 S-19 (P-113) **脂質代謝と細胞分裂を共役させるネットワークの解析**  
○高田啓<sup>1</sup>、盛田雅人<sup>1</sup>、志波優<sup>2</sup>、松本幸次<sup>3</sup>、吉川博文<sup>1,2</sup> (東農大・バイオ、東農大・ゲノム解析センター、埼玉大・理・分子生物)

- 17:17 S-20 (P-115) **緑膿菌のcAMPシグナル伝達経路がバイオフィーム形成に与える影響**  
○坂口文音、濱田将風、岡理栄、吉田志央美、内山裕夫、野村暢彦（筑波大院・生命環境）
- 17:20 S-21 (P-127) **メタトランスクリプトーム解析から見える水田土壌微生物群集の構造と機能の変動**  
○伊藤英臣<sup>1</sup>、石井聡<sup>1</sup>、大島健志朗<sup>2</sup>、白鳥豊<sup>3</sup>、大塚重人<sup>1</sup>、服部正平<sup>2</sup>、妹尾啓史<sup>1</sup>（<sup>1</sup>東大院・農生科、<sup>2</sup>東大院・新領域、<sup>3</sup>新潟農総研）
- 17:23 S-22 (P-129) **機能ベースのメタゲノム的手法で取得した芳香族化合物代謝関連遺伝子群の解析**  
○菅原智詞、小野玲、加藤広海、大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝（東北大院・生命科学）
- 17:26 S-23 (P-147) **液体培養系および土壌培養系における *Pseudomonas putida* F1 株の比較プロテオーム解析**  
○森本一、桑野晶喜、笠原康裕（北大・低温研）
- 17:29 S-47 (P-107) **DNAマイクロチップによるイネもみ枯細菌病菌の検出**  
○鶴田浄維<sup>1</sup>、滝下杏奈<sup>1,2</sup>、菊池貴幸<sup>2</sup>、新田ゆかり<sup>2</sup>、森田敏樹<sup>2</sup>、小木美恵子<sup>1</sup>（<sup>1</sup>金沢工大、<sup>2</sup>エスシーワールド（株））
- 17:32 S-48 (P-143) **454 配列に対応した遺伝子予測ツールの開発**  
○吉村慶人、伊藤武彦、野口英樹（東工大院・生命理工・生命情報）
- 17:35 S-49 (P-081) **細胞性粘菌のゲノム比較による分化関連遺伝子の解析**  
○福原健輔、漆原秀子（筑波大院・生命環境）

## ポスター発表

---

17:40~19:10

奇数番号コアタイム

## 評議委員会（押川記念ホール）

---

19:00~20:00

## 一般講演

- 9:00 O-17 (P-85) **枯草菌ゲノム縮小株の代謝改良による酵素高生産化**  
 ○眞鍋憲二<sup>1,2</sup>、影山泰<sup>1</sup>、森本拓也<sup>1,2</sup>、小澤忠弘<sup>1</sup>、荒勝俊<sup>1</sup>、尾崎克也<sup>1</sup>、小笠原直毅<sup>2</sup> (<sup>1</sup>花王・生科研、<sup>2</sup>奈良先端大院・情報)
- 9:12 O-18 (P-050) **次世代シーケンサーを用いた枯草菌の発現解析ならびに転写開始点解析**  
 松本貴嗣<sup>1</sup>、○吉川博文<sup>1,2</sup> (<sup>1</sup>東農大・生物資源ゲノム解析センター、<sup>2</sup>東農大・応用生物・バイオサイエンス)
- 9:24 O-19 (P-058) **次世代シーケンサーを用いた納豆菌のトランスクリプトーム解析**  
 ○西藤ゆかり<sup>1</sup>、長谷純崇<sup>1</sup>、八谷剛史<sup>1</sup>、榊原康文<sup>1</sup> (<sup>1</sup>慶應大・理工)
- 9:36 O-20 (P-109) **核様体タンパク質 H-NS 結合位置の大腸菌株間比較解析**  
 ○東光一<sup>1</sup>、戸邊亨<sup>2</sup>、鈴木穰<sup>3</sup>、菅野純夫<sup>3</sup>、石川周<sup>4</sup>、小笠原直毅<sup>4</sup>、黒川顕<sup>1</sup>、大島拓<sup>4</sup> (<sup>1</sup>東工大院・生命理工、<sup>2</sup>阪大院・医、<sup>3</sup>東大院・新領域、<sup>4</sup>奈良先端大院・情報)
- 9:48 O-21 (P-057) **Keio collection を使った Hydroxyurea 感受性株の解析**  
 中屋敷徹、○森浩禎 (奈良先端大院)
- 10:00 O-22 (P-041) **アセチル基転移酵素によるピルボイル酵素の活性化制御**  
 野崎晋五<sup>1</sup>、○仁木宏典<sup>1,2</sup> (<sup>1</sup>国立遺伝研・系統生物研究セ、<sup>2</sup>総研大院・遺伝)
- 10:12 O-23 (P-042) **大腸菌新規トキシン-アンチトキシンと T4 ファージ**  
 ○大塚裕一、古賀光徳、米崎哲朗 (阪大院・理・生物科学)
- 10:24 O-24 (P-110) **アラニンラセマーゼ欠損変異株の最少培地での生育**  
 ○大内寿一、堀初弘、安藤太助、磯貝恵美子、米山裕 (東北大院・農)
- 10:36 O-25 (P-053) **大腸菌の L-アラニン排出輸送体の同定および機能解析**  
 ○堀初弘、米山裕、安藤太助、磯貝恵美子、勝亦瞭一 (東北大院・農)
- 10:48 O-26 (P-006) **炭水素生産性緑藻“*Pseudochoricystis ellipsoidea*”のゲノム構造**  
 ○原山重明<sup>1</sup>、今村壮輔<sup>1</sup>、岩舘満雄<sup>1</sup>、近藤伸二<sup>2</sup>、小沢理津子<sup>2</sup>、足立直樹<sup>2</sup>、Todd Taylor<sup>2</sup>、鈴木穰<sup>3</sup>、菊池淳<sup>2</sup>、蔵野憲秀<sup>4</sup> (<sup>1</sup>中大、<sup>2</sup>理研、<sup>3</sup>東大、<sup>4</sup>デンソー)
- 11:00 O-27 (P-040) **ゲノム情報に基づく清酒酵母群の小進化モデルの検討**  
 ○赤尾健<sup>1</sup>、石塚洋一朗<sup>1</sup>、渡辺大輔<sup>1</sup>、石川雄章<sup>2</sup>、下飯仁<sup>1</sup> (<sup>1</sup>酒類総合研究所、<sup>2</sup>日本醸造協会)
- 11:12 O-28 (P-086) **次世代シーケンサーを用いた紅麹菌の全ゲノム解析**  
 ○鼠尾まい子<sup>1,2</sup>、塚原正俊<sup>1,2</sup>、佐藤万仁<sup>3,2</sup>、照屋盛実<sup>4,2</sup>、城間安紀乃<sup>3,2</sup>、喜久里育也<sup>3,2</sup>、佐藤友紀<sup>3,2</sup>、照屋邦子<sup>3,2</sup>、下地真紀子<sup>1,2</sup>、宮原弘子<sup>3,2</sup>、藤森一浩<sup>5,2</sup>、新里尚也<sup>6,2</sup>、町田雅之<sup>5,2</sup>、平野隆<sup>5,2</sup> (<sup>1</sup>TTC、<sup>2</sup>沖縄先端ゲノム、<sup>3</sup>OSTC、<sup>4</sup>沖縄工技セ、<sup>5</sup>産総研、<sup>6</sup>琉大・熱生研)
- 11:24 O-29 (P-040) **出芽酵母ヒストンアセチル化酵素遺伝子 *elp3* および脱アセチル化酵素遺伝子 *hos2* の破壊株におけるゲノムワイドヌクレオソームマップ解析**

松本貴嗣<sup>1</sup>、尹忠銖<sup>2</sup>、吉川博文<sup>1,3</sup>、○西田洋巳<sup>2</sup>（<sup>1</sup>東農大・生物資源ゲノム解析セ、<sup>2</sup>東大・院農生科・アグリバイオ、<sup>3</sup>東農大・バイオサイエンス）

- 11:36 O-30 (P-003) **細胞性粘菌 mRNAseq を利用したシグナル応答経路遺伝子の種間比較**  
○漆原秀子<sup>1</sup>、伊藤武彦<sup>2</sup>、豊田敦<sup>3</sup>、桑山秀一<sup>1</sup>、畑敬士<sup>1</sup>、藤山秋佐夫<sup>3,4</sup>  
(<sup>1</sup>筑波大、<sup>2</sup>東工大、<sup>3</sup>国立遺伝研、<sup>4</sup>国立情報研)
- 11:48 O-31 (P-043) **植物で初めて同定された窒素同化を制御する転写因子**  
○今村壮輔<sup>1,2</sup>、兼崎友<sup>2</sup>、大沼みお<sup>3</sup>、井上貴之<sup>3</sup>、関根靖彦<sup>3</sup>、藤原崇之<sup>3</sup>、黒岩常祥<sup>3</sup>、田中寛<sup>2,4</sup>（<sup>1</sup>中大・理工、<sup>2</sup>東大・分生研、<sup>3</sup>立教大・理、<sup>4</sup>千葉大院・園芸）

## ランチョンセミナー1（6号館2階 626教室）

- 12:10~12:55 **シーケンシング技術の最前線:次世代シーケンサ SOLiD™システムと半導体シーケンサ Ion Personal Genome Machine (PGM™)**  
熊井広哉（ライフテクノロジーズジャパン株式会社・マーケティング）

## 総会・研究奨励賞受賞者講演

13:00~14:30

## 招待講演 1

- 14:35~15:05 (I-01) **麹菌転写因子の網羅的解析－産業への利用を目指して－**  
小山泰二（（財）野田産業科学研究所）

## 招待講演 2

- 15:05~15:35 (I-02) **環境微生物に由来する分解酵素群の構造プロテオミクス**  
田之倉優（東大院・農生科）

## 3分トーク 2

- 15:40 S-24 (P-010) **歯周病原性細菌 *Porphyromonas gingivalis* のゲノム解析および多様性解析による種分化機構の解明**  
○渡辺孝康<sup>1</sup>、古川那由太<sup>1</sup>、野澤孝志<sup>1</sup>、相川知宏<sup>2</sup>、Bijaya Haobam<sup>1</sup>、遠藤亜希子<sup>1</sup>、丸山史人<sup>1</sup>、中川一路<sup>1</sup>（<sup>1</sup>東京医歯大院・医歯学総合、<sup>2</sup>東大院・新領域）
- 15:43 S-25 (P-012) **有機塩素系殺虫剤 gamma-hexachlorocyclohexane 分解細菌 *Sphingomonas* sp. MM-1 株が有する分解関連プラスミドの機能解析**  
○田端理朗、大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝（東北大院・生命科学）
- 15:46 S-26 (P-014) **Genome of *Bacillus subtilis* phage SP10**  
○Yee Lii Mien<sup>1</sup>、松本貴嗣<sup>3</sup>、吉川博文<sup>2,3</sup>、朝井計<sup>1</sup>（<sup>1</sup>埼玉大院・理工学、<sup>2</sup>東農大・応生科・バイオ、<sup>3</sup>東農大・ゲノム解析セ）
- 15:49 S-27 (P-060) **A 群レンサ球菌の多重溶原性獲得機構の解析**

- 古川那由太<sup>1</sup>、野澤孝志<sup>1</sup>、相川知宏<sup>2</sup>、渡辺孝康<sup>1</sup>、Bijaya Haobam<sup>1</sup>、遠藤 亜希子<sup>1</sup>、丸山史人<sup>1</sup>、中川一路<sup>1</sup> (<sup>1</sup>東京医歯大院・医歯学総合、<sup>2</sup>東大院・新領域)
- 15:52 S-28 (P-062) **枯草菌を用いた *Oceanobacillus iheyensis* RsiW の機能発現にかかわる機構の解析**  
○矢野晃一、朝井計 (埼玉大院・理工学)
- 15:55 S-29 (P-064) **土壌細菌 *Burkholderia multivorans* ATCC17616株の土壌環境中における特異的発現遺伝子の解析**  
○三浦那智、西山依里、大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝 (東北大院・生命科学)
- 15:58 S-30 (P-066) **シアノバクテリア *Synechococcus elongatus* PCC7942 における DNA 複製制御機構の解析**  
○大林龍胆、渡辺智、千葉櫻拓、吉川博文 (東農大・応生科・バイオ)
- 16:01 S-31 (P-068) **土壌細菌 *Burkholderia multivorans* ATCC 17616 株の Fur と OxyR の遺伝学的関連とメカニズムの解明**  
○木村明音、湯原悟志、大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝 (東北大院・生命科学)
- 16:04 S-32 (P-070) **緑膿菌の膜小胞産生に関与する遺伝子の網羅的同定**  
○清水川渉<sup>1</sup>、齋藤静香<sup>1</sup>、山崎祥平<sup>1</sup>、志村洋一郎<sup>2</sup>、稲本民夫<sup>2</sup>、皆川周<sup>3</sup>、後藤直正<sup>3</sup>、福島淳<sup>1</sup> (<sup>1</sup>秋田県立大・応用分子微生物、<sup>2</sup>同・微生物、<sup>3</sup>京都薬科大・微生物)
- 16:07 S-33 (P-072) **大腸菌染色体大規模欠失株を用いた酸化ストレス耐性に関与する遺伝子の解析**  
○岩館佑未、加藤潤一 (首都大院・理工・生命)
- 16:10 S-34 (P-074) **土壌細菌 *Burkholderia multivorans* ATCC 17616 株の土壌環境下で生育に重要な遺伝子の探索・解析**  
○千本木淳子、大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝 (東北大院・生命科学)
- 16:13 S-35 (P-076) **複数の膜タンパク質による枯草菌 SigM 活性制御機構の解析**  
○井上広海、鈴木大資、朝井計 (埼玉大院・理工学)
- 16:16 S-36 (P-090) **gamma-HCH 分解細菌 *Sphingobium japonicum* UT26 株由来の有機炭素源非添加無機培地で生育する変異株の解析**  
○宇井博紀、佐々木拓、田端理朗、大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝 (東北大院・生命科学)
- 16:19 S-37 (P-092) **ラン色細菌 *Synechocystis* sp.PCC6803 の酸性ストレス耐性に関与する ABC トランスポーター Slr1045 と Sll1180 の解析**  
○田原寛子<sup>1</sup>、田中優<sup>1</sup>、深井佐智子<sup>1</sup>、吉原利一<sup>2</sup>、内山純爾<sup>3</sup>、太田尚孝<sup>1,3</sup> (<sup>1</sup>東理大・理、<sup>2</sup>電中研・環境科学、<sup>3</sup>東理大・総研・RNA 科学研究セ)
- 16:22 S-38 (P-094) ***Rhodococcus* 属細菌の生産する Succinoyl Trehalose Lipid の生産制御機構の解析**  
○稲葉知大、菊子拓真、中島敏明、内山裕夫、野村暢彦 (筑波大院・生命環境)
- 16:25 S-39 (P-102) **腸炎ビブリオの pathogenicity island (Vp-PAI)における局所的な遺伝子発現調節**  
○後藤和義<sup>1</sup>、児玉年央<sup>2</sup>、日吉大貴<sup>1</sup>、飯田哲也<sup>1</sup> (<sup>1</sup>阪大微研・感染症国際研究センター、<sup>2</sup>阪大微研・細菌感染)

- 16:28 S-40 (P-104) **膿痂疹/SSSSをおこす *S. aureus* pETB の薬剤耐性遺伝子獲得**  
 ○久恒順三<sup>1,2</sup>、平川英樹<sup>3</sup>、大島健志朗<sup>4</sup>、服部正平<sup>4</sup>、桑原隆一<sup>1,2</sup>、加藤文紀<sup>1,2</sup>、菅井基行<sup>1,2</sup> (<sup>1</sup>広大・院内感染症プロジェクト研究セ、<sup>2</sup>広大院・医歯薬・細菌、<sup>3</sup>かずさDNA研、<sup>4</sup>東大院・新領域)
- 16:31 S-41 (P-114) **酸素分圧の変化による緑膿菌バイオフィルムの脱離機構の解析**  
 ○市原孝浩、八幡穰、中島敏明、内山裕夫、野村暢彦 (筑波大院・生命環境)
- 16:34 S-42 (P-126) **VITCOMIC: visualization tool for taxonomic compositions of microbial communities based on 16S rRNA gene sequences**  
 ○森宙史<sup>1</sup>、丸山史人<sup>2</sup>、黒川顕<sup>1</sup> (<sup>1</sup>東工大院・生命理工、<sup>2</sup>東京医歯大院・医歯学総合)
- 16:37 S-43 (P-128) **水稻根窒素固定細菌群集構造に及ぼす窒素施肥の影響**  
 ○北野愛奈<sup>1</sup>、池田成志<sup>2</sup>、佐々木和浩<sup>1</sup>、山下明史<sup>1</sup>、寺沢公宏<sup>1</sup>、江田志磨<sup>1</sup>、三井久幸<sup>1</sup>、南澤究<sup>1</sup> (<sup>1</sup>東北大院・生命科学、<sup>2</sup>北農研)
- 16:40 S-44 (P-130) **液体集積培養系における有機塩素系殺虫剤 gamma - hexachlorocyclohexane 分解能を担う細菌株群に関する研究**  
 ○川角徹、府中玄樹、大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝 (東北大院・生命科学)
- 16:43 S-45 (P-146) **枯草菌細胞壁におけるアニオン性ポリマー改変株の解析**  
 ○両角俊明<sup>1</sup>、児玉武子<sup>1,2</sup>、荒勝俊<sup>2</sup>、尾崎克也<sup>2</sup>、関口順一<sup>1</sup> (<sup>1</sup>信州大院、<sup>2</sup>花王・生物研)
- 16:46 S-46 (P-148) **植物由来香气成分の抗菌活性の解析**  
 ○今泉優<sup>1</sup>、松本貴嗣<sup>4</sup>、コヌシュカン アイシエ<sup>1</sup>、宮島由紀<sup>1</sup>、長谷川登志夫<sup>2</sup>、吉川博文<sup>3,4</sup>、朝井計<sup>1</sup> (<sup>1</sup>埼玉大・理・分子生物、<sup>2</sup>埼玉大・理・基礎化学、<sup>3</sup>東農大・応生科・バイオ、<sup>4</sup>東農大・ゲノム解析セ)
- 16:49 S-50 (P-132) **涙液常在菌の 16S rDNA クローンライブラリー解析と眼科医療応用について**  
 ○馬場藤貴<sup>1</sup>、梅田栄美<sup>1</sup>、村上慎之介<sup>1</sup>、藤島浩<sup>2</sup>、富田勝<sup>1</sup> (<sup>1</sup>慶大・先端生命研、<sup>2</sup>済生会中央病・眼科)

## ポスター発表

---

17:00~18:30

偶数番号コアタイム

## 懇親会 (仙台国際ホテル)

---

19:00~21:00

## 一般講演

- 9:00 O-32 (P-006) **微生物ゲノム自動アノテーションパイプライン Microbial Genome Annotation Pipeline (MiGAP)の機能拡張**  
○菅原秀明<sup>1</sup>、大山彰<sup>2</sup>、森宙史<sup>3</sup>、黒川顕<sup>3</sup> (<sup>1</sup>国立遺伝研、<sup>2</sup>インシリコバイオロジー、<sup>3</sup>東工大院・生命理工)
- 9:12 O-33 (P-029) **tRNADB-CE を用いた新型シーケンサ配列に対する新規分子系統マーカーとしての Trna 遺伝子の利用**  
○阿部貴志<sup>1</sup>、池村淑道<sup>1</sup>、藤井洋太郎<sup>1</sup>、山田優子<sup>1</sup>、武藤昱<sup>2</sup>、井口八郎<sup>1</sup> (<sup>1</sup>長浜バイオ大、<sup>2</sup>弘前大)
- 9:24 O-34 (P-031) **新規情報学的手法によるインフルエンザウイルスの特徴抽出及び変化予測**  
○岩崎裕貴<sup>1</sup>、和田健之介<sup>1</sup>、伊藤正恵<sup>1</sup>、池村淑道<sup>1</sup>、阿部貴志<sup>1</sup> (<sup>1</sup>長浜バイオ大)
- 9:36 O-35 (P-026) **ゲノム DNA の逆位に伴った遺伝子の重複と崩壊**  
古田芳一<sup>1,2,\*</sup>、河合幹彦<sup>3,\*</sup>、矢原耕史<sup>4</sup>、高橋規子<sup>1,2</sup>、半田直史<sup>1,2</sup>、鶴剛史<sup>2,5</sup>、大島健志朗<sup>1</sup>、吉田優<sup>6</sup>、東健<sup>6</sup>、服部正平<sup>1</sup>、内山郁夫<sup>3</sup>、○小林一三<sup>1,2,5</sup>(\*: equal contribution) (<sup>1</sup>東大院・新領域、<sup>2</sup>東大医科研、<sup>3</sup>基生研・ゲノム情報、<sup>4</sup>久留米大院・医、<sup>5</sup>東大院・理、<sup>6</sup>神戸大院・医)
- 9:48 O-36 (P-027) **遺伝子内ドメイン移動**  
○古田芳一<sup>1,2</sup>、河合幹彦<sup>3</sup>、内山郁夫<sup>3</sup>、小林一三<sup>1,2,4</sup> (<sup>1</sup>東大院・新領域、<sup>2</sup>東大・医科研、<sup>3</sup>基生研・ゲノム情報、<sup>4</sup>東大院・理)
- 10:00 O-37 (P-025) **利己的なホーミング・エンドヌクレアーゼ遺伝子は閉じた集団でどう生き延びるか**  
○矢原耕史<sup>1</sup>、福世真樹<sup>2</sup>、佐々木顕<sup>3,4,5</sup>、小林一三<sup>2</sup> (<sup>1</sup>久留米大・医・バイオ統計及び臨床感染、<sup>2</sup>東大院・新領域・メディカルゲノム、<sup>3</sup>総研大・生命共生体進化、<sup>4</sup>さきがけ、<sup>5</sup>IIASA)

## 招待講演 3

- 10:12~10:42 (I-03) **病原性大腸菌ゲノム解析から探る病原性の全体像**  
戸邊亨 (阪大院・医)

## 一般講演

- 10:42 O-38 (P-048) **黄色ブドウ球菌表皮剥脱毒素の新規転写因子 SptA の解析**  
○加藤文紀<sup>1</sup>、平川英樹<sup>2</sup>、田代康介<sup>3</sup>、久原哲<sup>3</sup>、菅井基行<sup>1</sup> (<sup>1</sup>広島大院・医歯薬・細菌、<sup>2</sup>かずさ DNA 研、<sup>3</sup>九大院・農・遺伝子制御)
- 10:54 O-39 (P-101) **本邦における結核菌臨床分離株の地理生物学的特性と遺伝的多様性**

○和田崇之<sup>1</sup>, 岩本朋忠<sup>2</sup>, 長谷篤<sup>1</sup>, 前田伸司<sup>3</sup> (大阪市立環境科学研究所<sup>1</sup>, 神戸市環境保健研究所<sup>2</sup>, 結核予防会結核研究所<sup>3</sup>)

11:06 O-40 (P-044) **Identification of a regulator of phase variation in *Myxococcus xanthus***

○Gou Furusawa<sup>1,2</sup>, Hannah Stone<sup>1</sup>, Katarzyna Dziewanowska<sup>1,2</sup>, Matthew Settles<sup>2</sup> and Patricia L. Hartzell<sup>1,2</sup> (Department of Microbiology, Molecular Biology and Biochemistry<sup>1</sup> and Biological Sciences<sup>2</sup>, University of Idaho, USA)

11:18 O-41 (P-059) **末端酸化酵素 *cbb<sub>3</sub>* による緑膿菌の嫌気環境下における細胞死誘導機構の解析**  
○濱田将風、豊福雅典、宮野知樹、中島敏明、内山裕夫、野村暢彦 (筑波大院・生命環境)

11:30 O-42 (P-056) ***Hydrogenobacter thermophilus* における好気条件での還元的代謝について**

○佐藤由也、神邊悠奈、新井博之、石井正治、五十嵐泰夫 (東大院・農生科)

11:42 O-43 (P-047) ***Rhodococcus jostii* RHA1 における BphT1 制御下遺伝子群の同定と解析**  
○原啓文<sup>1</sup>、愛宕祐基<sup>1</sup>、荒木直人<sup>2</sup>、下平潤<sup>2</sup>、福田雅夫<sup>2</sup>、八田貴<sup>1</sup> (<sup>1</sup>岡山理大・工、<sup>2</sup>長岡技科大・工)

## ランチョンセミナー2 (6号館 2階 626教室)

---

12:10~12:55 **ヒトの第二ゲノム：メタゲノム ～次<sup>n</sup>世代シーケンス技術の次なる潮流～**  
宋碩林 (ロシュ・ダイアグノスティックス株式会社)

## 一般講演

---

13:00 O-44 (P-045) **放線菌 *Streptomyces griseus* の気中菌糸形成に必須な WblA の解析**  
○肥後明佳、平野節、堀之内末治、大西康夫 (東大院・農生科・応生工)

13:12 O-45 (P-046) **DNA 修復系遺伝子群の欠損によるビタミン B<sub>1</sub> 生合成系の活性化**  
○福井健二<sup>1</sup>、上利佳弘<sup>1</sup>、新海暁男<sup>1</sup>、増井良治<sup>1,2</sup>、倉光成紀<sup>1,2</sup> (<sup>1</sup>理研・播磨研、<sup>2</sup>阪大院・理)

13:24 O-46 (P-049) **高度好熱菌 *Thermus thermophilus* の巨大プラスミドに集約された光応答性遺伝子群の発現制御メカニズム**  
○高野英晃、上利佳弘<sup>1</sup>、山崎竜大、新海暁男<sup>1</sup>、上田賢志 (日大・生資科・生命セ、<sup>1</sup>理研・放射光セ)

## 招待講演 4

---

13:36~14:06 (I-04) **大量ゲノム情報解析時代の未知微生物探索研究**  
鎌形洋一 (産総研、北大院・農)

## 一般講演

---

14:06 O-47 (P-119) **メタゲノミクスを応用した病原体検出システムの開発**

- 中村昇太、中屋隆明、後藤直久、安永照雄、飯田哲也、堀井俊宏（阪大・微研）
- 14:18 O-48 (P-125) **一括学習型自己組織化マップ（BLSOM）を用いた環境由来メタゲノム配列からの環境微生物群集構造の推定**  
○大井学、岩崎裕貴、和田健之介、池村淑道、阿部貴志（長浜バイオ大）
- 14:30 O-49 (P-122) **イネ地上部細菌群集のメタゲノム解析**  
○大久保卓<sup>1</sup>、佐々木和浩<sup>1</sup>、金子貴一<sup>2,3</sup>、山下明史<sup>1</sup>、大島健志朗<sup>4</sup>、佐藤修正<sup>2</sup>、江田志摩<sup>1</sup>、三井久幸<sup>1</sup>、佐藤雅志<sup>1</sup>、田畑哲之<sup>2</sup>、服部正平<sup>4</sup>、池田成志<sup>1,5</sup>、南澤究<sup>1</sup>（<sup>1</sup>東北大院・生命科学、<sup>2</sup>かずさDNA研、<sup>3</sup>京産大・総合生命、<sup>4</sup>東大院・新領域、<sup>5</sup>北農研）
- 14:42 O-50 (P-121) **窒素施肥レベルに応答したイネ細菌群集のメタゲノム解析**  
○佐々木和浩<sup>1</sup>、大久保卓<sup>1</sup>、池田成志<sup>1,2</sup>、山下明史<sup>1</sup>、北野愛奈<sup>1</sup>、寺沢公宏<sup>1</sup>、江田志摩<sup>1</sup>、三井久幸<sup>1</sup>、佐藤雅志<sup>1</sup>、南澤究<sup>1</sup>（<sup>1</sup>東北大院・生命科学、<sup>2</sup>北農研）
- 14:54 O-51 (P-123) **芳香族化合物汚染により誘導される土壌遺伝子プールの変動解析**  
○加藤広海<sup>1</sup>、森宙史<sup>2</sup>、豊田敦<sup>3</sup>、大坪嘉行<sup>1</sup>、丸山史人<sup>4</sup>、堂園亜由美<sup>2</sup>、永田裕二<sup>1</sup>、藤山秋佐夫<sup>5</sup>、黒川顕<sup>2</sup>、津田雅孝<sup>1</sup>（<sup>1</sup>東北大院・生命科学、<sup>2</sup>東工大院・生命理工、<sup>3</sup>国立遺伝研、<sup>4</sup>東京医科歯科大院・医歯学総合、<sup>5</sup>国立情報研）
- 15:06 O-52 (P-124) **土壌汚染により優先した *Burkholderia* 群集の系統と代謝能力の遷移**  
○熊野知拓、菅原智則、加藤広海、大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝（東北大院・生命科学）
- 15:18 O-53 (P-120) **海洋における多環芳香族炭化水素(PAHs)分解複合微生物群集のメタゲノム、メタプロテオーム解析**  
○岩淵範之、奥田修二郎<sup>1</sup>、竹石英伯、大島健志朗<sup>2</sup>、服部正平<sup>2</sup>、砂入道夫、（日大・生資科、<sup>1</sup>立命館大・生命、<sup>2</sup>東大院・新領域）
- 15:30 O-54 (P-144) **環境試料用 DNA 抽出キット（Extrap Soil DNA Kit Plus ver2）の評価**  
○岡本真由<sup>1</sup>、市川康平<sup>2</sup>、蔵田信也<sup>1</sup>、中村和憲<sup>1</sup>（<sup>1</sup>（株）J-Bio 21、<sup>2</sup>日鉄環境エンジニアリング（株））

## 座長一覧

### 3月14日(月)

---

O-01~O-06	丸山史人(東京医歯大院・医歯学総合)
O-07~O-11	南澤 究(東北大院・生命科学)
O-12~O-16	板谷光泰(慶應大・先端生命研)

### 3月15日(火)

---

O-17~O-21	仁木宏典(国立遺伝研・系統生物研究セ)
O-22~O-25	大島 拓(奈良先端大院)
O-26~O-31	平川英樹(かずさDNA研)
I-01	五味勝也(東北大院・農)
I-02	永田裕二(東北大院・生命科学)

### 3月16日(水)

---

O-32~O-37	加藤潤一(首都大院・理工)
I-03, O-38	林 哲也(宮崎大・フロンティア)
O-39~O-42	菅井基行(広島大院・医歯薬)
O-43~O-46	新井博之(東大院・農生科)
I-04	津田雅孝(東北大院・生命科学)
O-47~O-50	高見英人(JAMSTEC・深海)
O-51~O-54	大熊盛也(理研・BRC-JCM)

# ポスター発表 プログラム

## 奇数番号コアタイム

3月14日（月）17:40～19:10

## 偶数番号コアタイム

3月15日（火）17:00～18:30

ポスター番号（口頭発表番号）：太字はポスター賞対象演題

- P-001 (O-03) **未培養系統群アーキアの全ゲノム解析とその真核生物型ユビキチンシステム**  
○布浦拓郎<sup>1</sup>、高木善弘<sup>1</sup>、角太淳吾<sup>1</sup>、西真郎<sup>1</sup>、菅原潤一<sup>2,3</sup>、風間宏美<sup>1</sup>、池甲珠<sup>1</sup>、服部正平<sup>4</sup>、金井昭夫<sup>2,3</sup>、跡見晴幸<sup>5</sup>、高井研<sup>1</sup>、高見英人<sup>1</sup>（<sup>1</sup>海洋機構・深海・地殻内、<sup>2</sup>慶応大・先端生命、<sup>3</sup>慶応大院・政策メディア、<sup>4</sup>東大院・新領域、<sup>5</sup>京大・工）
- P-002 (O-04) **ナギナタシロウリガイ細胞内共生菌のゲノム解析**  
高木善弘<sup>1</sup>、○吉田尊雄<sup>1</sup>、島村繁<sup>1</sup>、塚原正俊<sup>2</sup>、鼠尾まい子<sup>2</sup>、下地真紀子<sup>2</sup>、丸山正<sup>1</sup>（<sup>1</sup>海洋機構、<sup>2</sup>トロピカルテクノセ）
- P-003 (O-30) **細胞性粘菌 mRNAseq を利用したシグナル応答経路遺伝子の種間比較**  
○漆原秀子<sup>1</sup>、伊藤武彦<sup>2</sup>、豊田敦<sup>3</sup>、桑山秀一<sup>1</sup>、畑敬士<sup>1</sup>、藤山秋佐夫<sup>3,4</sup>（<sup>1</sup>筑波大、<sup>2</sup>東工大、<sup>3</sup>国立遺伝研、<sup>4</sup>国立情報研）
- P-004 (O-05) **ミカンキジラミ必須共生細菌2種のゲノム解析**  
○中鉢淳<sup>1</sup>、大島健志朗<sup>2</sup>、宮城島進也<sup>1</sup>、服部正平<sup>2</sup>、深津武馬<sup>3</sup>（<sup>1</sup>理研・基幹研、<sup>2</sup>東大院・新領域、<sup>3</sup>産総研・ゲノムファクトリー）
- P-005 (O-06) **ゾウムシ類の細胞内共生細菌ナルドネラの極小ゲノムの全塩基配列決定と比較ゲノム解析**  
○二河成男<sup>1</sup>、安佛尚志<sup>2</sup>、細川貴弘<sup>2</sup>、古賀隆一<sup>2</sup>、孟憲英<sup>2</sup>、大島健志朗<sup>3</sup>、服部正平<sup>3</sup>、深津武馬<sup>2</sup>（<sup>1</sup>放送大、<sup>2</sup>産総研、<sup>3</sup>東大）
- P-006 (O-32) **微生物ゲノム自動アノテーションパイプライン Microbial Genome Annotation Pipeline (MiGAP)の機能拡張**  
○菅原秀明<sup>1</sup>、大山彰<sup>2</sup>、森宙史<sup>3</sup>、黒川顕<sup>3</sup>（<sup>1</sup>国立遺伝研、<sup>2</sup>インシリコバイオロジー、<sup>3</sup>東工大・生命理工）
- P-007 (O-01) **乳酸菌 *Lactobacillus brevis* KB290 のゲノム解析と次世代シーケンサーを用いた同一株内の多型解析**  
○深尾匡憲<sup>1</sup>、大島健志朗<sup>2</sup>、森田英利<sup>3</sup>、須田亙<sup>2</sup>、金錫元<sup>2</sup>、鈴木重徳<sup>1</sup>、矢賀部隆史<sup>1</sup>、矢嶋信浩<sup>1</sup>、服部正平<sup>2</sup>（<sup>1</sup>カゴメ・総研、<sup>2</sup>東大院・新領域、<sup>3</sup>麻布大・獣医）
- P-008 (O-26) **炭化水素生産性緑藻 "*Pseudochoricystis ellipsoidea*" のゲノム構造**  
○原山重明<sup>1</sup>、今村壮輔<sup>1</sup>、岩舘満雄<sup>1</sup>、近藤伸二<sup>2</sup>、小沢理津子<sup>2</sup>、足立直樹<sup>2</sup>、Todd Taylor<sup>2</sup>、鈴木穰<sup>3</sup>、菊池淳<sup>2</sup>、蔵野憲秀<sup>4</sup>（<sup>1</sup>中大、<sup>2</sup>理研、<sup>3</sup>東大、<sup>4</sup>デンソー）
- P-009 (S-01) **ミヤコグサ根粒菌 *Mesorhizobium loti* における共生アイランドの比較解析**  
○眞板寛子<sup>1,2</sup>、平川英樹<sup>1</sup>、中村保一<sup>1,3</sup>、金子貴一<sup>1,4</sup>、佐伯和彦<sup>5</sup>、田畑哲之<sup>1</sup>、佐藤修正<sup>1,2</sup>（<sup>1</sup>かずさ DNA 研・植物ゲノム、<sup>2</sup>東北大院・生命科学、<sup>3</sup>遺伝研・遺伝情報、<sup>4</sup>京産大・総合生命科学、<sup>5</sup>奈良女子大・理）
- P-010 (S-24) **歯周病原性細菌 *Porphyromonas gingivalis* のゲノム解析および多様性解析による種分化機構の解明**  
○渡辺孝康<sup>1</sup>、古川那由太<sup>1</sup>、野澤孝志<sup>1</sup>、相川知宏<sup>2</sup>、Bijaya Haobam<sup>1</sup>、遠藤亜希子<sup>1</sup>、丸山史人<sup>1</sup>、中川一路<sup>1</sup>（<sup>1</sup>東京医歯大院・医歯総研、<sup>2</sup>東大院・新領域）
- P-011 (S-02) **納豆菌特異的ファージφNIT1 のゲノム解析**  
○尾崎達郎<sup>1</sup>、木村啓太郎<sup>2</sup>、金子淳<sup>1</sup>（<sup>1</sup>東北大院・農・生物産業創成、<sup>2</sup>食総研）
- P-012 (S-25) **有機塩素系殺虫剤 gamma-hexachlorocyclohexane 分解細菌 *Sphingomonas* sp. MM-1 株が有する分解関連プラスミドの機能解析**  
○田端理朗、大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝（東北大院・生命科学）
- P-013 (S-03) **宿主遺伝子特異的な共生不和合性をもつダイズ根粒菌のゲノム解析**  
○津久井隆裕<sup>1</sup>、金子貴一<sup>2</sup>、佐藤修正<sup>3</sup>、山田学<sup>3</sup>、板倉学<sup>1</sup>、山下明史<sup>1</sup>、三井久幸<sup>1</sup>、

江田志磨<sup>1</sup>、南澤究<sup>1</sup> (1東北大院・生命科学、<sup>2</sup>京産大、<sup>3</sup>かずさ DNA 研)

- P-014 (S-26) Genome of *Bacillus subtilis* phage SP10**  
○Yee Lii Mien<sup>1</sup>、松本貴嗣<sup>3</sup>、吉川博文<sup>2,3</sup>朝井計<sup>1</sup> (1埼大院・理工、<sup>2</sup>東農大・応生科・バイオ、<sup>3</sup>東農大・ゲノム解析セ)
- P-015 (S-04) ゲノムアセンブラーの新規開発**  
○梶谷嶺、野口英樹、伊藤武彦 (東工大院・生命理工・生命情報)
- P-016 **メタゲノム配列から目的の遺伝子を効率よく探す方法**  
○山下明史、北野愛奈、佐々木和浩、南澤究 (東北大院・生命科学)
- P-017 **重金属耐性能を持つ好酸性光合成細菌 *Acidiphilium multivorum* AIU301<sup>T</sup> のゲノム解析**  
○山田 (成田) 佐知子、中村早苗、市川夏子、宝田裕美、伊藤尚文、片野葉子、細山哲、山田隆一、中澤秀和、山崎秀司、藤田信之 (NITE・バイオテクノロジー)
- P-018 **次世代シーケンサーを用いた共生窒素固定放線菌フランキアのゲノム解析**  
○九町健一<sup>1</sup>、笹川英夫<sup>2</sup>、阿部美紀子<sup>1</sup>、内海俊樹<sup>1</sup> (1鹿児島大、<sup>2</sup>岡山大)
- P-019 **Illumina Genome Analyzer を用いた *Pseudoalteromonas atlantica* AR06 株の多糖分解遺伝子の解析**  
○松嶋良次<sup>1</sup>、石川俊平<sup>2</sup>、辻真吾<sup>2</sup>、山本省吾<sup>2</sup>、内田基晴<sup>3</sup>、村田倫子<sup>1</sup>、渡邊龍一<sup>1</sup>、石原賢司<sup>1</sup>、津田雅孝<sup>4</sup>、鈴木敏之<sup>1</sup> (1水研セ・中央水研、<sup>2</sup>東大・先端研、<sup>3</sup>水研セ・瀬戸内水研、<sup>4</sup>東北大院・生命科学)
- P-020 **水田土壌から単離した脱窒細菌株 *Pseudogulbenkiania* sp. NH8B のゲノム解析**  
○石井聡<sup>1</sup>、多胡香奈子<sup>1,2</sup>、大島健志朗<sup>1</sup>、西澤智康<sup>1</sup>、大塚重人<sup>1</sup>、服部正平<sup>1</sup>、妹尾啓史<sup>1</sup> (1東大、<sup>2</sup>農環研)
- P-021 **新規海洋性アクチノバクテリア YM16-304 株の全ゲノム解析**  
○藤浪俊<sup>1,3</sup>、笠井宏朗<sup>2</sup>、堀川博司<sup>1</sup>、加藤裕美子<sup>1</sup>、原田健史<sup>1</sup>、細山哲<sup>1</sup>、関根光雄<sup>1</sup>、宝田裕美<sup>1</sup>、小俣せいはい<sup>1</sup>、中澤秀和<sup>1</sup>、藤田信之<sup>1</sup> (1NITE・バイオテクノロジー、<sup>2</sup>北里大・海洋バイオテクノロジー釜石研、<sup>3</sup>東洋大・バイオナノエレクトロニクス研究セ)
- P-022 **インド洋深海底熱水活動域に棲息する巻貝の細胞内共生微生物のゲノム解析**  
○島村繁<sup>1</sup>、中川聡<sup>2</sup>、高木善弘<sup>1</sup>、澤辺智雄<sup>2</sup>、高井研<sup>1</sup> (1海洋機構、<sup>2</sup>北大)
- P-023 **ダイズ根粒菌 *Bradyrhizobium japonicum* strain USDA6 のゲノム構造解析**  
○金子貴一<sup>1</sup>、内池伸和<sup>1</sup>、南澤究<sup>2</sup>、渡辺安希子<sup>3</sup>、山田学<sup>3</sup>、佐藤修正<sup>3</sup> (1京産大・工、<sup>2</sup>東北大院・生命科学、<sup>3</sup>かずさ DNA 研)
- P-024 **ウシ趾乳頭腫症由来 *Treponema phagedenis* のゲノム特性と比較ゲノム解析**  
○後藤恭宏<sup>1</sup>、山崎和子<sup>1</sup>、大島健志朗<sup>2</sup>、小椋義俊<sup>1,3</sup>、大岡唯祐<sup>3</sup>、矢野貴久<sup>4</sup>、服部正平<sup>2</sup>、三澤尚明<sup>4</sup>、林哲也<sup>1,3</sup> (1宮崎大・フロンティア、<sup>2</sup>東大院・新領域、<sup>3</sup>宮崎大・医感染症、<sup>4</sup>宮崎大・農獣医)
- P-025 (O-37) 利己的なホーミング・エンドヌクレアーゼ遺伝子は閉じた集団でどう生き延びるか**  
○矢原耕史<sup>1</sup>、福世真樹<sup>2</sup>、佐々木顕<sup>3,4,5</sup>、小林一三<sup>2</sup> (1久留米大・医・バイオ統計及び臨床感染、<sup>2</sup>東大・新領域・メディカルゲノム、<sup>3</sup>総研大・生命共生体進化、<sup>4</sup>さきがけ、<sup>5</sup>IIASA)
- P-026 (O-35) ゲノム DNA の逆位に伴った遺伝子の重複と崩壊**  
古田芳一<sup>1,2,\*</sup>、河合幹彦<sup>3,\*</sup>、矢原耕史<sup>4</sup>、高橋規子<sup>1,2</sup>、半田直史<sup>1,2</sup>、鶴剛史<sup>2,5</sup>、大島健志朗<sup>1</sup>、吉田優<sup>6</sup>、東健<sup>6</sup>、服部正平<sup>1</sup>、内山郁夫<sup>3</sup>、○小林一三<sup>1,2,5</sup>(\*: equal contribution)  
(<sup>1</sup>東大院・新領域、<sup>2</sup>東大医科研、<sup>3</sup>基生研・ゲノム情報、<sup>4</sup>久留米大院・医、<sup>5</sup>東大院・理、<sup>6</sup>神戸大院・医)
- P-027 (O-36) 遺伝子内ドメイン移動**

- 古田芳一<sup>1,2</sup>、河合幹彦<sup>3</sup>、内山郁夫<sup>3</sup>、小林一三<sup>1,2,4</sup> (<sup>1</sup>東大院・新領域、<sup>2</sup>東大医科研、<sup>3</sup>基生研・ゲノム情報、<sup>4</sup>東大院・理)
- P-028 (O-27) **ゲノム情報に基づく清酒酵母群の小進化モデルの検討**  
○赤尾健<sup>1</sup>、石塚洋一朗<sup>1</sup>、渡辺大輔<sup>1</sup>、石川雄章<sup>2</sup>、下飯仁<sup>1</sup> (<sup>1</sup>酒類総合研、<sup>2</sup>日本醸造協会)
- P-029 (O-33) **tRNADB-CE を用いた新型シーケンサ配列に対する新規分子系統マーカーとしての Trna 遺伝子の利用**  
○阿部貴志<sup>1</sup>、池村淑道<sup>1</sup>、藤井洋太郎<sup>1</sup>、山田優子<sup>1</sup>、武藤昱<sup>2</sup>、井口八郎<sup>1</sup> (<sup>1</sup>長浜バイオ大、<sup>2</sup>弘前大)
- P-030 (O-02) **水田土壌から分離した *Azoarcus* 属脱窒細菌株のゲノム解析**  
○西澤智康<sup>1</sup>、多胡香奈子<sup>1</sup>、大島健志朗<sup>2</sup>、石井聡<sup>1</sup>、大塚重人<sup>1</sup>、服部正平<sup>2</sup>、妹尾啓史<sup>1</sup> (<sup>1</sup>東大院・農生命、<sup>2</sup>東大院・新領域)
- P-031 (O-34) **新規情報学的手法によるインフルエンザウイルスの特徴抽出及び変化予測**  
○岩崎裕貴、和田健之介、伊藤正恵、池村淑道、阿部貴志 (長浜バイオ大)
- P-032 (O-07) **次世代シーケンサーによるラン藻 *Synechocystis* sp. PCC 6803 亜系株のリシーケンス解析**  
○兼崎友<sup>1</sup>、志波優<sup>1</sup>、渡辺智<sup>1,2</sup>、池内昌彦<sup>3</sup>、佐藤直樹<sup>3</sup>、吉川博文<sup>1,2</sup> (<sup>1</sup>東農大・NGRC、<sup>2</sup>東農大・応生科バイオ、<sup>3</sup>東大院・総合文化)
- P-033 (O-15) ***Pseudomonas fluorescens* Pf0-1(pCAR1)株のモデル汚染環境における遺伝子進化**  
○新谷政己<sup>1,2</sup>、松本貴嗣<sup>3</sup>、大熊盛也<sup>1</sup>、吉川博文<sup>3,4</sup>、野尻秀昭<sup>2</sup> (<sup>1</sup>理研・BRC-JCM、<sup>2</sup>東大・生物工学セ、<sup>3</sup>東農大・ゲノムセ、<sup>4</sup>東農大・応生科)
- P-034 **マイコプラズマとアコレプラズマにおけるゲノムの退行進化と重複遺伝子の特徴から見る寄生戦略**  
○佐々木裕子 (感染研)
- P-035 **不均衡変異導入法におけるゲノムワイドな変異スペクトル解析**  
○志波優<sup>1</sup>、田中 (福島) 早苗<sup>2</sup>、笠原堅<sup>2</sup>、堀内貴之<sup>2</sup>、吉川 博文<sup>1,3</sup> (<sup>1</sup>東農大・ゲノム解析セ、<sup>2</sup> (株) ネオ・モルガン研究所、<sup>3</sup>東農大・応生科・バイオ)
- P-036 **大規模なゲノムアノテーション情報の手動による精度と再利用性の向上**  
○藤澤貴智<sup>1</sup>、岡本忍<sup>1,2</sup>、中尾光輝<sup>1,2</sup>、中村保一<sup>1,3</sup> (<sup>1</sup>かずさ DNA 研、<sup>2</sup>ライフサイエンス統合 DB セ、<sup>3</sup>日本 DNA データバンク)
- P-037 **真核藻類における光受容体の分布**  
○成川礼、池内昌彦 (東大院・総合文化)
- P-038 **次世代シーケンシング対応ゲノム解析プラットフォーム GiNeS (ギネス) を用いた微生物変異解析 – 変異同定の条件比較**  
○竹田綾、今井建策、齋藤静司、上村泰央、江崎正浩、高野幸太、山岸秀規、西達也 ( (株) ジナリス)
- P-039 (O-12) **プラスミド上にコードされる複数種の核様体タンパク質の協調的機能の解析**  
武田俊春<sup>1</sup>、尹忠銖<sup>2</sup>、新谷政己<sup>1,3</sup>、山根久和<sup>1</sup>、○野尻秀昭<sup>1,2</sup> (<sup>1</sup>東大・生物工学セ、<sup>2</sup>東大院・農生科・アグリバイオ、<sup>3</sup>理研・BRC-JCM)
- P-040 (O-29) **出芽酵母ヒストンアセチル化酵素遺伝子 *elp3* および脱アセチル化酵素遺伝子 *hos2* の破壊株におけるゲノムワイドヌクレオソームマップ解析**  
松本貴嗣<sup>1</sup>、尹忠銖<sup>2</sup>、吉川博文<sup>1,3</sup>、○西田洋巳<sup>2</sup> (<sup>1</sup>東農大・生物資源ゲノム解析セ、<sup>2</sup>東大院・農生科・アグリバイオ、<sup>3</sup>東農大・バイオサイエンス)
- P-041 (O-22) **アセチル基転移酵素によるピルボイル酵素の活性化制御**  
野崎晋五<sup>1</sup>、○仁木宏典<sup>1,2</sup> (<sup>1</sup>国立遺伝研・系統生物研究セ、<sup>2</sup>総研大院・遺伝)

- P-042 (O-23) **大腸菌新規トキシン-アンチトキシンと T4 ファージ**  
○大塚裕一、古賀光徳、米崎哲朗（阪大院・理・生物科学）
- P-043 (O-31) **植物で初めて同定された窒素同化を制御する転写因子**  
○今村壮輔<sup>1,2</sup>、兼崎友<sup>2</sup>、大沼みお<sup>3</sup>、井上貴之<sup>3</sup>、関根靖彦<sup>3</sup>、藤原崇之<sup>3</sup>、黒岩常祥<sup>3</sup>、田中寛<sup>2,4</sup>（<sup>1</sup>中大・理工、<sup>2</sup>東大・分生研、<sup>3</sup>立教大・理、<sup>4</sup>千葉大院・園芸）
- P-044 (O-40) **Identification of a regulator of phase variation in *Myxococcus xanthus***  
○Gou Furusawa<sup>1,2</sup>, Hannah Stone<sup>1</sup>, Katarzyna Dziewanowska<sup>1,2</sup>, Matthew Settles<sup>2</sup> and Patricia L. Hartzell<sup>1,2</sup>（Dept. of Microbiology, Molecular Biology and Biochemistry<sup>1</sup> and Biological Sciences<sup>2</sup>, Univ. of Idaho, USA）
- P-045 (O-44) **放線菌 *Streptomyces griseus* の気中菌糸形成に必須な WblA の解析**  
○肥後明佳、平野節、堀之内未治、大西康夫（東大院・農生科・応生工）
- P-046 (O-45) **DNA 修復系遺伝子群の欠損によるビタミン B<sub>1</sub> 生合成系の活性化**  
○福井健二<sup>1</sup>、上利佳弘<sup>1</sup>、新海暁男<sup>1</sup>、増井良治<sup>1,2</sup>、倉光成紀<sup>1,2</sup>（<sup>1</sup>理研・播磨研、<sup>2</sup>阪大院・理）
- P-047 (O-43) ***Rhodococcus jostii* RHA1 における BphT1 制御下遺伝子群の同定と解析**  
○原啓文<sup>1</sup>、愛宕祐基<sup>1</sup>、荒木直人<sup>2</sup>、下平潤<sup>2</sup>、福田雅夫<sup>2</sup>、八田貴<sup>1</sup>（<sup>1</sup>岡山理大・工、<sup>2</sup>長岡技科大・工）
- P-048 (O-38) **黄色ブドウ球菌表皮剥脱毒素の新規転写調節因子の解析**  
○加藤文紀<sup>1</sup>、平川英樹<sup>2</sup>、田代康介<sup>3</sup>、久原哲<sup>3</sup>、菅井基行<sup>1</sup>（<sup>1</sup>広大院・医歯薬・細菌、<sup>2</sup>かずさ DNA 研、<sup>3</sup>九大院・農・遺伝子制御）
- P-049 (O-46) **高度好熱菌 *Thermus thermophilus* の巨大プラスミドに集約された光応答性遺伝子群の発現制御メカニズム**  
○高野英晃<sup>1</sup>、上利佳弘<sup>2</sup>、山崎竜大<sup>1</sup>、新海暁男<sup>2</sup>、上田賢志<sup>1</sup>（<sup>1</sup>日大・生資科・生命セ、<sup>2</sup>理研・放射光セ）
- P-050 (O-18) **次世代シーケンサーを用いた枯草菌の発現解析ならびに転写開始点解析**  
松本貴嗣<sup>1</sup>、○吉川博文<sup>1,2</sup>（<sup>1</sup>東農大・生物資源ゲノム解析セ、<sup>2</sup>東農大・応用生物学・バイオサイエンス）
- P-051 (O-10) **シアノバクテリア *Anabaena* sp. PCC 7120 における糖代謝制御**  
○得平茂樹、大森正之（中大・生命科学）
- P-052 (O-13) **プラスミド pCAR1 にコードされる H-NS 様因子 Pmr の多量体形成機構の解明**  
○鈴木千穂<sup>1</sup>、尹忠銖<sup>1,2</sup>、寺田透<sup>2</sup>、山根久和<sup>1</sup>、野尻秀昭<sup>1,2</sup>（<sup>1</sup>東大・生物工学セ、<sup>2</sup>東大院・農生科・アグリバイオ）
- P-053 (O-25) **大腸菌の L-アラニン排出輸送体の同定および機能解析**  
○堀初弘、米山裕、安藤太助、磯貝恵美子、勝亦瞭一（東北大院・農）
- P-054 (O-08) **補色順化を制御するシアノバクテリオクロムの光変換のしくみ**  
○広瀬侑<sup>1</sup>、Nathan C. Rockwell<sup>2</sup>、Shelley Martin<sup>2</sup>、成川礼<sup>3</sup>、猪股勝彦<sup>4</sup>、Clark J. Lagarias<sup>2</sup>、池内昌彦<sup>1,3</sup>（<sup>1</sup>東大院・理、<sup>2</sup>カリフォルニア大学・デイビス校、<sup>3</sup>東大院・総合文化、<sup>4</sup>金沢大院・理）
- P-055 (O-09) **好気性光合成細菌 *Roseobacter denitrificans* OCh114 における光合成関連遺伝子の制御因子の機能解析**  
○木村真人、石井正治、五十嵐泰夫、新井博之（東大院・農生科）
- P-056 (O-42) ***Hydrogenobacter thermophilus* における好気条件での還元的代謝について**  
○佐藤由也、神邊悠奈、新井博之、石井正治、五十嵐泰夫（東大院・農生科）
- P-057 (O-21) **Keio collection を使った Hydroxyurea 感受性株の解析**  
中屋敷徹、○森浩禎（奈良先端大院）

- P-058 (O-19) **次世代シーケンサーを用いた納豆菌のトランスクリプトーム解析**  
○西藤ゆかり<sup>1</sup>、長谷純崇<sup>1</sup>、八谷剛史<sup>1</sup>、榊原康文<sup>1</sup> (<sup>1</sup>慶應大・理工)
- P-059 (O-41) **末端酸化酵素 *cbb<sub>3</sub>* による緑膿菌の嫌気環境下における細胞死誘導機構の解析**  
○濱田将風、豊福雅典、宮野知樹、中島敏明、内山裕夫、野村暢彦 (筑波大院・生命環境)
- P-060 (S-27) **A 群レンサ球菌の多重溶原性獲得機構の解析**  
○古川那由太<sup>1</sup>、野澤孝志<sup>1</sup>、相川知宏<sup>2</sup>、渡辺孝康<sup>1</sup>、Bijaya Haobam<sup>1</sup>、遠藤亜希子<sup>1</sup>、丸山史人<sup>1</sup>、中川一路<sup>1</sup> (<sup>1</sup>東京医歯大院・医歯総研、<sup>2</sup>東大院・新領域)
- P-061 (S-05) **好気性光合成細菌 *Roseobacter denitrificans* OCh114 の光酸化ストレス防御に関わるσ因子の解析**  
○青山晴菜<sup>1</sup>、木村真人<sup>2</sup>、石井正治<sup>2</sup>、五十嵐泰夫<sup>2</sup>、新井博之<sup>2</sup> (<sup>1</sup>東大・農、<sup>2</sup>東大院・農生科)
- P-062 (S-28) **枯草菌を用いた *Oceanobacillus iheyensis* RsiW の機能発現にかかわる機構の解析**  
○矢野晃一、朝井計 (埼大院・理工)
- P-063 (S-06) **有機塩素系殺虫剤 gamma-HCH 分解細菌 *Sphingobium japonicum* UT26 株内にて転移する挿入配列検出系の構築**  
○西岡ましほ、田端理朗、大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝 (東北大院・生命科学)
- P-064 (S-29) **土壌細菌 *Burkholderia multivorans* ATCC17616株の土壌環境中における特異的発現遺伝子の解析**  
○三浦那智、西山依里、大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝 (東北大院・生命科学)
- P-065 (S-07) **絶対光要求性シアノバクテリアにおけるシグマ因子を介したエネルギー飢餓条件での概日転写リズム：夜間の遺伝子発現制御メカニズムの解析**  
○細川徳宗<sup>1</sup>、島山哲央<sup>1</sup>、小島崇<sup>1</sup>、伊藤浩史<sup>1,2</sup>、岩崎秀雄<sup>1,3</sup> (<sup>1</sup>早大院・先進理工、<sup>2</sup>お茶大・アカプロ、<sup>3</sup>科技機構さきがけ)
- P-066 (S-30) **シアノバクテリア *Synechococcus elongatus* PCC7942 における DNA 複製制御機構の解析**  
○大林龍胆、渡辺智、千葉櫻拓、吉川博文 (東農大・応生科・バイオ)
- P-067 (S-08) ***Synechocystis* がもつヒスチジンキナーゼ Hik2 のシグナル検知機構の解析**  
○古田島知則、白岩善博、鈴木石根 (筑波大院・生命環境)
- P-068 (S-31) **土壌細菌 *Burkholderia multivorans* ATCC 17616 株の Fur と OxyR の遺伝学的関連とメカニズムの解明**  
○木村明音、湯原悟志、大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝 (東北大院・生命科学)
- P-069 (S-09) ***Acidovorax* sp. KKS102 におけるカタボライト抑制メカニズムの研究**  
○小沼かおり、大坪嘉行、鈴木信太郎、永田裕二、津田雅孝 (東北大院・生命科学)
- P-070 (S-32) **緑膿菌の膜小胞産生に関する遺伝子の網羅的同定**  
○清水川渉<sup>1</sup>、齋藤静香<sup>1</sup>、山崎祥平<sup>1</sup>、志村洋一郎<sup>2</sup>、稲本民夫<sup>2</sup>、皆川周<sup>3</sup>、後藤直正<sup>3</sup>、福島淳<sup>1</sup> (<sup>1</sup>秋田県立大・応用分子微生物、<sup>2</sup>秋田県立大・微生物、<sup>3</sup>京都薬大・微生物)
- P-071 (S-10) **枯草菌 *sigA* 転写制御株における胞子形成誘発機構の解析**  
○唐木智充<sup>1</sup>、須永愛<sup>2</sup>、板本英恵<sup>2</sup>、山下湖<sup>2</sup>、朝井計<sup>2</sup> (<sup>1</sup>埼大・理・分子生物、<sup>2</sup>埼大院・理工)
- P-072 (S-33) **大腸菌染色体大規模欠失株を用いた酸化ストレス耐性に関する遺伝子の解析**  
○岩館佑未、加藤潤一 (首都大院・理工・生命)
- P-073 (S-11) **受容菌のリン酸基転移系による IncP-9 プラスミド NHA7 の接合伝達制御機構**  
○井上慧、宮崎亮、宮腰昌利、大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝 (東北大院・生命科学)
- P-074 (S-34) **土壌細菌 *Burkholderia multivorans* ATCC 17616 株の土壌環境下で生育に重要な遺伝子の探索・解析**

- 千本木淳子、大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝（東北大院・生命科学）
- P-075 (S-12) **ミヤコグサ根粒菌の宿主植物への侵入に重要な *cep* 遺伝子の機能解析**  
 ○菅原智史<sup>1</sup>、川原田泰之<sup>1</sup>、松本貴嗣<sup>2</sup>、志波優<sup>2</sup>、吉川博文<sup>3</sup>、江田志磨<sup>1</sup>、三井久幸<sup>1</sup>、南澤究<sup>1</sup>（<sup>1</sup>東北大院・生命科学、<sup>2</sup>東農大・ゲノムセ、<sup>3</sup>東農大・応用生物科学）
- P-076 (S-35) **複数の膜タンパク質による枯草菌 SigM 活性制御機構の解析**  
 ○井上広海、鈴木大資、朝井計（埼大院・理工）
- P-077 (S-13) **PCB 分解 *Rhodococcus* 属細菌の glucose および fructose 取り込み系の同定と解析**  
 ○荒木直人<sup>1</sup>、宮内啓介<sup>2</sup>、笠井大輔<sup>1</sup>、政井英司<sup>1</sup>、福田雅夫<sup>1</sup>（<sup>1</sup>長岡技科大・生物、<sup>2</sup>東北学院大・環境建設）
- P-078 **大腸菌の L-アラニン排出能欠損変異株の取得**  
 ○米山裕、堀初弘、安藤太助、磯貝恵美子、勝亦瞭一（東北大院・農）
- P-079 **枯草菌の swarming motility に必要な DegU 依存性遺伝子 *ycdA***  
 ○小倉光雄（東海大・海洋研）
- P-080 **ラン藻のモリブデン補因子の生合成系遺伝子の解析**  
 ○白石英秋（京大院・生命）
- P-081 (S-49) **細胞性粘菌のゲノム比較による分化関連遺伝子の解析**  
 ○福原健輔、漆原秀子（筑波大院・生命環境）
- P-082 **大腸菌の生活環と栄養環境応答のトランスクリプトーム**  
 ○牧泰史<sup>1</sup>、道瀬ひとみ<sup>2</sup>、竹内力矢<sup>2</sup>、上田雅美<sup>3</sup>、和田明<sup>3</sup>、古池晶<sup>1</sup>、吉田秀司<sup>1</sup>、中東憲治<sup>4</sup>、森浩禎<sup>2,4</sup>（<sup>1</sup>大阪医大・物理、<sup>2</sup>奈良先端大院・生体情報、<sup>3</sup>吉田生物研、<sup>4</sup>慶應大・先端生命研）
- P-083 **次世代シーケンサーを用いた枯草菌の熱ショック応答遺伝子の解析**  
 ○松本貴嗣<sup>1</sup>、吉川博文<sup>1,2</sup>（<sup>1</sup>東農大・生物資源ゲノム解析セ、<sup>2</sup>東農大・応用生物科学・バイオサイエンス）
- P-084 **MDRP が保有する *bla*<sub>IMP-1</sub> plasmid の解析**  
 ○鹿山鎮男<sup>1,2</sup>、小林加直<sup>1,2,3</sup>、大毛宏喜<sup>1,4</sup>、平川英樹<sup>5</sup>、大島健志朗<sup>6</sup>、服部正平<sup>6</sup>、菅井基行<sup>1,2</sup>（<sup>1</sup>広大・院内感染症プロジェクト研究セ、<sup>2</sup>広大院・医歯薬・細菌学、<sup>3</sup>広大院・医歯薬・腎泌尿器、<sup>4</sup>広大病・感染症、<sup>5</sup>かずさ DNA 研、<sup>6</sup>東大・新領域）
- P-085 (O-17) **枯草菌ゲノム縮小株の代謝改良による酵素高生産化**  
 ○眞鍋憲二<sup>1,2</sup>、影山泰<sup>1</sup>、森本拓也<sup>1,2</sup>、小澤忠弘<sup>1</sup>、荒勝俊<sup>1</sup>、尾崎克也<sup>1</sup>、小笠原直毅<sup>2</sup>（<sup>1</sup>花王・生科研、<sup>2</sup>奈良先端大院・情報）
- P-086 (O-28) **次世代シーケンサーを用いた紅麹菌の全ゲノム解析**  
 ○鼠尾まい子<sup>1,2</sup>、塚原正俊<sup>1,2</sup>、佐藤万仁<sup>3,2</sup>、照屋盛実<sup>4,2</sup>、城間安紀乃<sup>3,2</sup>、喜久里育也<sup>3,2</sup>、佐藤友紀<sup>3,2</sup>、照屋邦子<sup>3,2</sup>、下地真紀子<sup>1,2</sup>、宮原弘子<sup>3,2</sup>、藤森一浩<sup>5,2</sup>、新里尚也<sup>6,2</sup>、町田雅之<sup>5,2</sup>、平野隆<sup>5,2</sup>（<sup>1</sup>TTC、<sup>2</sup>沖縄先端ゲノム、<sup>3</sup>OSTC、<sup>4</sup>沖縄工技セ、<sup>5</sup>産総研、<sup>6</sup>琉大・熱生研）
- P-087 **泡盛醸造に用いられる実用黒麹菌株の比較ゲノム解析**  
 塚原正俊<sup>1,2</sup>、鼠尾まい子<sup>1,2</sup>、○下地真紀子<sup>1,2</sup>、佐藤万仁<sup>4,2</sup>、照屋盛実<sup>3,2</sup>、城間安紀乃<sup>4,2</sup>、喜久里育也<sup>4,2</sup>、藤森一浩<sup>5,2</sup>、小池英明<sup>5,2</sup>、照屋邦子<sup>4,2</sup>、佐藤友紀<sup>4,2</sup>、宮原弘子<sup>4,2</sup>、神野浩二<sup>6</sup>、堀川博司<sup>6</sup>、細山哲<sup>6</sup>、藤田信之<sup>6</sup>、町田雅之<sup>5,2</sup>、平野隆<sup>5,2</sup>（<sup>1</sup>TTC、<sup>2</sup>沖縄先端ゲノム、<sup>3</sup>沖縄工技セ、<sup>4</sup>OSTC、<sup>5</sup>産総研、<sup>6</sup>NITE）
- P-088 **泡盛醸造に用いられる実用泡盛酵母の全ゲノム解析**  
 ○塚原正俊<sup>1,2</sup>、鼠尾まい子<sup>1,2</sup>、下地真紀子<sup>1,2</sup>、佐藤万仁<sup>4,2</sup>、照屋盛実<sup>3,2</sup>、城間安紀乃<sup>4,2</sup>、喜久里育也<sup>4,2</sup>、藤森一浩<sup>5,2</sup>、小池英明<sup>5,2</sup>、照屋邦子<sup>4,2</sup>、佐藤友紀<sup>4,2</sup>、宮原弘子<sup>4,2</sup>、赤尾健<sup>6</sup>、渡辺大輔<sup>6</sup>、下飯仁<sup>6</sup>、町田雅之<sup>5,2</sup>、平野隆<sup>5,2</sup>（<sup>1</sup>TTC、<sup>2</sup>沖縄先端ゲノム）

△、<sup>3</sup>沖繩工技セ、<sup>4</sup>OSTC、<sup>5</sup>産総研、<sup>6</sup>酒総研)

- P-089 (S-14) ***Sphingobium* sp. MI1205 株由来の脱ハロゲン酵素 LinB\_MI の beta-HCH 分解活性に重要なアミノ酸残基の同定**  
○森内良太、大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝 (東北大院・生命科学)
- P-090 (S-36) **gamma-HCH 分解細菌 *Sphingobium japonicum* UT26 株由来の有機炭素源非添加無機培地で生育する変異株の解析**  
○宇井博紀、佐々木拓、田端理朗、大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝 (東北大院・生命科学)
- P-091 (S-15) **超好熱アーキア *Sulfolobus tokodaii* のホモセリン脱水素酵素の機能解析**  
○石崎清加<sup>1</sup>、吉宗一晃<sup>2</sup>、河原林裕<sup>2</sup>、土居克実<sup>3</sup>、大島敏久<sup>3</sup> (<sup>1</sup>九大院・生資環、<sup>2</sup>九大院・農・極限環境ゲノム機能、<sup>3</sup>九大院・農・生物機能)
- P-092 (S-37) **ラン色細菌 *Synechocystis* sp. PCC6803 の酸性ストレス耐性に関する ABC トランスポーター Slr1045 と Sll1180 の解析**  
○田原寛子<sup>1</sup>、田中優<sup>1</sup>、深井佐智子<sup>1</sup>、吉原利一<sup>2</sup>、内山純爾<sup>3</sup>、太田尚孝<sup>1,3</sup> (<sup>1</sup>東理大・理、<sup>2</sup>電中研・環境科学、<sup>3</sup>東理大・総研・RNA 科学研究セ)
- P-093 (S-16) **SphR を介した *Synechocystis* sp. PCC6803 における酸耐性機構の解析**  
○浅倉良介<sup>1</sup>、田中優<sup>1</sup>、久保裕子<sup>1</sup>、木村真由湖<sup>1</sup>、森山淳<sup>1</sup>、内山純爾<sup>2</sup>、太田尚孝<sup>1,2</sup> (<sup>1</sup>東理大・理、<sup>2</sup>東理大・総研・RNA 科学研究セ)
- P-094 (S-38) ***Rhodococcus* 属細菌の生産する Succinoyl Trehalose Lipid の生産制御機構の解析**  
○稲葉知大、菊子拓真、中島敏明、内山裕夫、野村暢彦 (筑波大院・生命環境)
- P-095 (S-17) **大腸菌における光合成機能の再構成**  
○藤原弘平、城本史寛、岩本明、本多弘典、篠田卓弥、永島賢治、加藤潤一 (首都大院・理工・生命)
- P-096 **次世代シーケンサを用いた高温適応酢酸菌株の変異部位解析**  
○松谷峰之介<sup>1</sup>、Natsaran Saichana<sup>1</sup>、西倉慎顕<sup>1</sup>、今田智子<sup>1</sup>、秦野智行<sup>1</sup>、薬師寿治<sup>1</sup>、東慶直<sup>2</sup>、松下一信<sup>1</sup> (<sup>1</sup>山口大・農・生物機能、<sup>2</sup>近大・生理工・食品安全工)
- P-097 **枯草菌ゲノム縮小株の構築と特徴**  
○森本拓也<sup>1,2</sup>、高橋弘喜<sup>1</sup>、影山泰<sup>2</sup>、眞鍋憲二<sup>2</sup>、志波優<sup>4</sup>、荒勝俊<sup>2</sup>、尾崎克也<sup>2</sup>、吉川博文<sup>3,4</sup>、中村健介<sup>1</sup>、金谷重彦<sup>1</sup>、小笠原直毅<sup>1</sup> (<sup>1</sup>奈良先端大院・情報、<sup>2</sup>花王(株)・生物科学研、<sup>3</sup>東農大・応用生物、<sup>4</sup>東農大・ゲノムリサーチセ)
- P-098 **嫌気ベンゼン分解菌 *Azoarcus* sp. DN11 株のベンゼン分解遺伝子解析**  
○笠井由紀 (北里大・釜石研)
- P-099 **マイクロアレイによるエノキタケ糖質加水分解酵素の探索**  
○森一樹<sup>1</sup>、久原哲<sup>1</sup>、古川隆紀<sup>2</sup>、石黒真希<sup>3</sup>、五十嵐圭日子<sup>3</sup>、鮫島正浩<sup>3</sup>、高畠幸司<sup>4</sup>、金子哲<sup>5</sup>、小笠原渉<sup>2</sup> (<sup>1</sup>九大院・農学、<sup>2</sup>長岡技科大・生物系、<sup>3</sup>東大院・農生科、<sup>4</sup>富山県森林研、<sup>5</sup>食総研)
- P-100 **中度好塩性細菌 *Halomonas elongata* OUT30018 株と DSM2581<sup>T</sup> 株の比較ゲノム解析による OUT30018 株に特異的な芳香族化合物分解遺伝子群の同定**  
○仲山英樹<sup>1</sup>、小野比佐好<sup>2</sup>、大島拓<sup>3</sup>、近藤昭彦<sup>4</sup>、小笠原直毅<sup>3</sup> (<sup>1</sup>神戸大・研究環、<sup>2</sup>阪大院・工、<sup>3</sup>奈良先端大院・情報、<sup>4</sup>神戸大院・工)
- P-101 (O-39) **本邦における結核菌臨床分離株の地理生物学的特性と遺伝的多様性**  
○和田崇之<sup>1</sup>、岩本朋忠<sup>2</sup>、長谷篤<sup>1</sup>、前田伸司<sup>3</sup> (<sup>1</sup>大阪市立環境科学研、<sup>2</sup>神戸市環境保健研、<sup>3</sup>結核予防会結核研)
- P-102 (S-39) **腸炎ビブリオの pathogenicity island (Vp-PAI) における局所的な遺伝子発現調節**  
○後藤和義<sup>1</sup>、児玉年央<sup>2</sup>、日吉大貴<sup>1</sup>、飯田哲也<sup>1</sup> (<sup>1</sup>阪大微研・感染症国際研究セ、<sup>2</sup>阪大微研・細菌感染)

- P-103 (S-18) マラリア原虫の感染調節タンパクと病原性について**  
○白川康一(京大院・医・病原細菌)
- P-104 (S-40) 膿痂疹/SSSSをおこす *S. aureus* pETB の薬剤耐性遺伝子獲得**  
○久恒順三<sup>1,2</sup>、平川英樹<sup>3</sup>、大島健志朗<sup>4</sup>、服部正平<sup>4</sup>、桑原隆一<sup>1,2</sup>、加藤文紀<sup>1,2</sup>、菅井基行<sup>1,2</sup> (<sup>1</sup> 広大・院内感染症プロ研究セ、<sup>2</sup> 広大院・医歯薬・細菌、<sup>3</sup> かずさ DNA 研、<sup>4</sup> 東大院・新領域)
- P-105 沖縄のピロリ菌における long type *dupA* 遺伝子 (duodenal ulcer promoting) と消化器疾患の関係**  
○高橋彩華、仲地里織、山岡吉生 (大分大・医・環境・予防医)
- P-106 米国および日本における *Helicobacter pylori* 新規病原遺伝子 (*jhp0562*,  $\beta$ -(1,3)*galT*) と消化器疾患の関係**  
○松田みゆき、塩田星児、山岡吉生 (大分大・医・環境・予防医)
- P-107 (S-47) DNAマイクロチップによるイネもみ枯細菌病菌の検出**  
○鶴田浄維<sup>1</sup>、滝下杏奈<sup>1,2</sup>、菊池貴幸<sup>2</sup>、新田ゆかり<sup>2</sup>、森田敏樹<sup>2</sup>、小木美恵子<sup>1</sup> (<sup>1</sup> 金沢工大、<sup>2</sup> エスシーワールド (株) )
- P-108 病原性大腸菌 O157 の志賀毒素産生性に関わる遺伝的特性の解明**  
○小椋義俊<sup>1,2</sup>、大西真<sup>3</sup>、真子俊博<sup>4</sup>、河野喜美子<sup>5</sup>、大岡唯祐<sup>2</sup>、林哲也<sup>1,2</sup> (<sup>1</sup> 宮崎大・フロンティア、<sup>2</sup> 宮崎大・医・微生物、<sup>3</sup> 感染研・細菌第一、<sup>4</sup> 福岡市保環研・保健、<sup>5</sup> 宮崎県衛環研・微生物)
- P-109 (O-20) 核様体タンパク質 H-NS 結合位置の大腸菌株間比較解析**  
東光一<sup>1</sup>、戸邊亨<sup>2</sup>、鈴木穰<sup>3</sup>、菅野純夫<sup>3</sup>、石川周<sup>4</sup>、小笠原直毅<sup>4</sup>、黒川顕<sup>1</sup>、○大島拓<sup>4</sup> (<sup>1</sup> 東工大・生命理工、<sup>2</sup> 阪大院・医、<sup>3</sup> 東大院・新領域、<sup>4</sup> 奈良先端大院・情報科学)
- P-110 (O-24) アラニンラセマーゼ欠損変異株の最少培地での生育**  
○大内寿一、堀初弘、安藤太助、磯貝恵美子、米山裕 (東北大院・農)
- P-111 (O-16) IncP-7群プラスミドpCAR1が宿主のバイオフィーム形成に与える影響**  
○李昇昱<sup>1</sup>、高橋裕里香<sup>1</sup>、大浦啓<sup>2</sup>、山根久和<sup>1</sup>、野村暢彦<sup>2</sup>、野尻秀昭<sup>1</sup> (<sup>1</sup> 東大・生物工学セ、<sup>2</sup> 筑波大院・生命環境)
- P-112 (O-14) プラスミドが宿主の表現型に与える影響の網羅的検出と核様体タンパク質の関与の検討**  
○高橋裕里香<sup>1</sup>、武田俊春<sup>1</sup>、新谷政己<sup>1,2</sup>、山根久和<sup>1</sup>、野尻秀昭<sup>1</sup> (<sup>1</sup> 東大・生物工学セ、<sup>2</sup> 理研・BRC-JCM)
- P-113 (S-19) 脂質代謝と細胞分裂を共役させるネットワークの解析**  
○高田啓<sup>1</sup>、盛田雅人<sup>1</sup>、志波優<sup>2</sup>、松本幸次<sup>3</sup>、吉川博文<sup>1,2</sup> (<sup>1</sup> 東農大・バイオ、<sup>2</sup> 東農大・ゲノム解析セ、<sup>3</sup> 埼玉大・理・分子生物)
- P-114 (S-41) 酸素分圧の変化による緑膿菌バイオフィームの脱離機構の解析**  
○市原孝浩、八幡穰、中島敏明、内山裕夫、野村暢彦 (筑波大院・生命環境)
- P-115 (S-20) 緑膿菌のcAMPシグナル伝達経路がバイオフィーム形成に与える影響**  
○坂口文音、濱田将風、岡理栄、吉田志央美、内山裕夫、野村暢彦 (筑波大院・生命環境)
- P-116 細胞性粘菌 *Dictyostelium discoideum* におけるハンチンチンホモログの機能解析**  
○桑山秀一、安藤知恵 (筑波大院・生命環境)
- P-117 ChAP-chip 解析・トランスクリプトーム解析から見てきた *AbrB/Abh* の転写制御機構**  
Chumsakul Onuma、高橋弘喜、大島拓、菱本貴弘、小笠原直毅、○石川周 (奈良先端大院・情報)
- P-118 細菌における培養誘導期の観察**  
工藤融<sup>1</sup>、○橋本昌征<sup>2</sup> (<sup>1</sup> 信州大院・工、<sup>2</sup> 信州大・若手拠点)

- P-119 (O47) **メタゲノミクスを応用した病原体検出システムの開発**  
○中村昇太、中屋隆明、後藤直久、安永照雄、飯田哲也、堀井俊宏（阪大・微研）
- P-120 (O-53) **海洋における多環芳香族炭化水素(PAHs)分解複合微生物群集のメタゲノム、メタプロテオーム解析**  
○岩淵範之、奥田修二郎<sup>1</sup>、竹石英伯、大島健志朗<sup>2</sup>、服部正平<sup>2</sup>、砂入道夫（日大・生資科、<sup>1</sup>立命館大・生命、<sup>2</sup>東大院・新領域）
- P-121 (O-50) **窒素施肥レベルに応答したイネ細菌群集のメタゲノム解析**  
○佐々木和浩<sup>1</sup>、大久保卓<sup>1</sup>、池田成志<sup>1,2</sup>、山下明史<sup>1</sup>、北野愛奈<sup>1</sup>、寺沢公宏<sup>1</sup>、江田志摩<sup>1</sup>、三井久幸<sup>1</sup>、佐藤雅志<sup>1</sup>、南澤究<sup>1</sup>（<sup>1</sup>東北大院・生命科学、<sup>2</sup>北農研）
- P-122 (O-49) **イネ地上部細菌群集のメタゲノム解析**  
○大久保卓<sup>1</sup>、佐々木和浩<sup>1</sup>、金子貴一<sup>2,3</sup>、山下明史<sup>1</sup>、大島健志朗<sup>4</sup>、佐藤修正<sup>2</sup>、江田志摩<sup>1</sup>、三井久幸<sup>1</sup>、佐藤雅志<sup>1</sup>、田畑哲之<sup>2</sup>、服部正平<sup>4</sup>、池田成志<sup>1,5</sup>、南澤究<sup>1</sup>（<sup>1</sup>東北大院・生命、<sup>2</sup>かずさDNA研、<sup>3</sup>京産大・総合生命、<sup>4</sup>東大院・新領域、<sup>5</sup>北農研）
- P-123 (O-51) **芳香族化合物汚染により誘導される土壌遺伝子プールの変動解析**  
○加藤広海<sup>1</sup>、森宙史<sup>2</sup>、豊田敦<sup>3</sup>、大坪嘉行<sup>1</sup>、丸山史人<sup>4</sup>、堂園亜由美<sup>2</sup>、永田裕二<sup>1</sup>、藤山秋佐夫<sup>5</sup>、黒川顕<sup>2</sup>、津田雅孝<sup>1</sup>（<sup>1</sup>東北大院・生命科学、<sup>2</sup>東工大院・生命理工、<sup>3</sup>国立遺伝研、<sup>4</sup>東京医歯大院・医歯学総合、<sup>5</sup>国立情報研）
- P-124 (O-52) **土壌汚染により優先した *Burkholderia* 群集の系統と代謝能力の遷移**  
○熊野知弘、菅原智則、加藤広海、大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝（東北大院・生命科学）
- P-125 (O-48) **一括学習型自己組織化マップ (BLSOM) を用いた環境由来メタゲノム配列からの環境微生物群集構造の推定**  
○大井学、岩崎裕貴、和田健之介、池村淑道、阿部貴志（長浜バイオ大）
- P-126 (S-42) **VITCOMIC: visualization tool for taxonomic compositions of microbial communities based on 16S rRNA gene sequences**  
○森宙史<sup>1</sup>、丸山史人<sup>2</sup>、黒川顕<sup>1</sup>（<sup>1</sup>東工大院・生命理工、<sup>2</sup>東京医歯大院・医歯学総合）
- P-127 (S-21) **メタトランスクリプトーム解析から見える水田土壌微生物群集の構造と機能の変動**  
○伊藤英臣<sup>1</sup>、石井聡<sup>1</sup>、大島健志朗<sup>2</sup>、白鳥豊<sup>3</sup>、大塚重人<sup>1</sup>、服部正平<sup>2</sup>、妹尾啓史<sup>1</sup>（<sup>1</sup>東大院・農生科、<sup>2</sup>東大院・新領域、<sup>3</sup>新潟農総研）
- P-128 (S-43) **水稲根窒素固定細菌群集構造に及ぼす窒素施肥の影響**  
○北野愛奈<sup>1</sup>、池田成志<sup>2</sup>、佐々木和浩<sup>1</sup>、山下明史<sup>1</sup>、寺沢公宏<sup>1</sup>、江田志摩<sup>1</sup>、三井久幸<sup>1</sup>、南澤究<sup>1</sup>（<sup>1</sup>東北大院・生命科学、<sup>2</sup>北農研）
- P-129 (S-22) **機能ベースのメタゲノム的手法で取得した芳香族化合物代謝関連遺伝子群の解析**  
○菅原智詞、小野玲、加藤広海、大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝（東北大院・生命科学）
- P-130 (S-44) **液体集積培養系における有機塩素系殺虫剤 gamma-hexachlorocyclohexane 分解能を担う細菌株群に関する研究**  
○川角徹、府中玄樹、大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝（東北大院・生命科学）
- P-131 **糸状性ラン藻 *Anabaena* sp. strain PCC 7120 における細胞表面タンパク質とストレス防御機構の解析**  
○吉村英尚<sup>1,2</sup>、池内昌彦<sup>1</sup>、大森正之<sup>2</sup>（<sup>1</sup>東大・総合文化、<sup>2</sup>中大・理工）
- P-132 (S-50) **涙液常在菌の 16S rDNA クローンライブラリー解析と眼科医療応用について**  
○馬場藤貴<sup>1</sup>、梅田栄美<sup>1</sup>、村上慎之介<sup>1</sup>、藤島浩<sup>2</sup>、富田勝<sup>1</sup>（<sup>1</sup>慶大・先端生命研、<sup>2</sup>済生会中央病・眼科）
- P-133 **高温中性域温泉群における微生物群集遺伝子応答の網羅的比較解析**  
○濱村奈津子<sup>1</sup>、Jennifer Meneghin<sup>2</sup>、Anna-Louise Reysenbach<sup>2</sup>（<sup>1</sup>愛媛大・CMES、<sup>2</sup>Portland State Univ., USA）

- P-134 **ヒト腸内細菌叢メタゲノム研究と微生物ゲノム解析**  
 ○大島健志朗<sup>1</sup>、森田英利<sup>2</sup>、Vineet Sharma<sup>3</sup>、須田亙<sup>1</sup>、金錫元<sup>1</sup>、金相完<sup>1</sup>、飯岡恵里香<sup>1</sup>、稲葉寛実<sup>1</sup>、大森恵美<sup>1</sup>、進藤智絵<sup>1</sup>、高山由紀子<sup>1</sup>、中野章代<sup>2</sup>、服部恭江<sup>1</sup>、古谷恵子<sup>1</sup>、吉崎真理子<sup>1</sup>、Heba Said<sup>1</sup>、Todd Taylor<sup>3</sup>、服部正平<sup>1</sup> (<sup>1</sup>東大院・新領域、<sup>2</sup>麻布大・獣、<sup>3</sup>理研・基幹研)
- P-135 **多様度指数からみたアーキア菌叢層序変遷**  
 ○坪内泰志<sup>1</sup>、豊田敦<sup>2</sup>、高木善弘<sup>1</sup>、荒井渉<sup>1</sup>、西真郎<sup>1</sup>、青池寛<sup>1</sup>、高見英人<sup>1</sup> (<sup>1</sup>海洋機構、<sup>2</sup>国立遺伝研)
- P-136 **454 による 16S rDNA 解析**  
 ○須田亙<sup>1</sup>、金錫元<sup>1</sup>、大島健志朗<sup>1</sup>、Heba Shehta Said<sup>1</sup>、飯岡恵里香<sup>1</sup>、大森恵美<sup>1</sup>、菊池真美<sup>1,2</sup>、上野真理子<sup>1,2</sup>、服部正平<sup>1</sup> (<sup>1</sup>東大院・新領域、<sup>2</sup>クレハ)
- P-137 **マメ科モデル植物ミヤコグサ根圏土壌を対象とした比較メタゲノム解析**  
 ○海野佑介<sup>1</sup>、寺沢公宏<sup>2</sup>、山下明史<sup>2</sup>、南澤究<sup>2</sup>、信濃卓郎<sup>1</sup> (<sup>1</sup>農研機構、<sup>2</sup>東北大院・生命科学)
- P-138 **一括学習型自己組織化マップ (BLSOM) を用いた環境ゲノム資源からの有用遺伝子を保有する微生物群の探索**  
 ○上原啓史、伊藤輝二、岩崎裕貴、古田亜耶乃、松浦将吾、下雅意健治、中泉友紀、和田千恵子、池村淑道、阿部貴志 (長浜バイオ大・バイオサイエンス)
- P-139 **メタゲノム解析から見えるマリアナ海溝最深部の優先種ゲノム**  
 ○西真郎<sup>1</sup>、高木善弘<sup>1</sup>、坪内泰志<sup>1</sup>、荒井渉<sup>1</sup>、小椋義俊<sup>2</sup>、林哲也<sup>2</sup>、高見英人<sup>1</sup> (<sup>1</sup>JAMSTEC、<sup>2</sup>宮崎大・フロンティア・生命環境)
- P-140 **Analysis of effect of probiotics on shaping human gut microbiota**  
 ○Seok-won Kim<sup>1</sup>、Kenshiro Oshima<sup>1</sup>、Hidetoshi Morita<sup>2</sup>、Wataru Suda<sup>1</sup>、Shinji Fukuda<sup>3</sup>、Hiroshi Ohno<sup>3</sup>、Masahira Hattori<sup>1</sup> (<sup>1</sup>Grad. Sch. of Frontier Sciences, Univ. of Tokyo, <sup>2</sup>Grad. Sch. of Veterinary Med., Azabu Univ., <sup>3</sup>RCAI, RIKEN)
- P-141 **ヒト歯周病細菌叢のメタゲノム解析**  
 ○林潤一郎<sup>1</sup>、近藤伸二<sup>2</sup>、亀井英彦<sup>1</sup>、森田英利<sup>3</sup>、足立直樹<sup>2</sup>、福田光男<sup>1</sup>、石原裕一<sup>1</sup>、Todd D Taylor<sup>2</sup>、小島俊男<sup>2,4</sup>、野口俊英<sup>1</sup> (<sup>1</sup>愛知学院大・歯周病、<sup>2</sup>理研・メタシステム、<sup>3</sup>麻布大・食品科学、<sup>4</sup>浜松医大・実験実習機器セ)
- P-142 **比較ゲノム解析ツール RECOG のメタゲノム解析への応用に向けた改良**  
 ○内山郁夫 (基生研)
- P-143 (S-48) **454 配列に対応した遺伝子予測ツールの開発**  
 ○吉村慶人、伊藤武彦、野口英樹 (東工大院・生命理工・生命情報)
- P-144 (O-54) **環境試料用 DNA 抽出キット (Extrap Soil DNA Kit Plus ver2) の評価**  
 ○岡本真由<sup>1</sup>、市川康平<sup>2</sup>、蔵田信也<sup>1</sup>、中村和憲<sup>1</sup> (<sup>1</sup>(株) J-Bio 21、<sup>2</sup>日鉄環境エンジニアリング (株) )
- P-145 (O-11) **植物病原性細菌ファイトプラズマの宿主転換に伴う遺伝子発現制御**  
 ○石井佳子、柿澤茂行、三浦千裕、大島研郎、難波成任 (東大)
- P-146 (S-45) **枯草菌細胞壁におけるアニオン性ポリマー改変株の解析**  
 ○両角俊明<sup>1</sup>、児玉武子<sup>1,2</sup>、荒勝俊<sup>2</sup>、尾崎克也<sup>2</sup>、関口順一<sup>1</sup> (<sup>1</sup>信州大院、<sup>2</sup>花王・生物研)
- P-147 (S-23) **液体培養系および土壌培養系における *Pseudomonas putida* F1 株の比較プロテオーム解析**  
 ○森本一、桑野晶喜、笠原康裕 (北大・低温研)
- P-148 (S-46) **植物由来香り成分の抗菌活性の解析**

○今泉優<sup>1</sup>、松本貴嗣<sup>4</sup>、コヌシユカン アイシエ<sup>1</sup>、宮島由紀<sup>1</sup>、長谷川登志夫<sup>2</sup>、吉川博文<sup>3,4</sup>、朝井計<sup>1</sup> (<sup>1</sup>埼玉大・理・分子生物、<sup>2</sup>埼玉大・理・基礎化学、<sup>3</sup>東農大・応生科・バイオ、<sup>4</sup>東農大・ゲノム解析セ)

P-149 **陸生ラン藻の耐乾燥性に光化学系遺伝子と窒素固定関連遺伝子が関与することを利用して、耐乾燥性を活かした陸生ラン藻の有効利用法を検討する**

○加藤浩<sup>1</sup>、山口裕司<sup>2</sup>、竹中裕行<sup>2</sup> (<sup>1</sup>三重大・生命セ・植物、<sup>2</sup>マイクロアルジェコーポレーション (株) )

P-150 **機能ドメイン構造保持パターンからメタゲノム遺伝子機能推定**

○高木善弘、西真郎、河合幹彦、高見英人 (海洋機構)

P-151 **DDBJ~新型シーケンサからのデータ登録~**

○猿橋智<sup>1</sup>、児玉悠一<sup>1</sup>、李慶範<sup>1</sup>、大城戸利久<sup>1</sup>、横山会美<sup>1</sup>、長崎英樹<sup>1</sup>、望月孝子<sup>1</sup>、神沼英里<sup>1</sup>、菅原秀明<sup>1</sup>、高木利久<sup>1,3</sup>、大久保公策<sup>1,2</sup>、中村保一<sup>1</sup> (<sup>1</sup>遺伝研・生命情報・DDBJ 研究セ、<sup>2</sup>ライフサイエンス統合データベースセ、<sup>3</sup>東大院・新領域)

P-152 **ローリングサークル型増幅法による微生物 RNA の直接検出**

○高橋宏和、小堀俊郎、松本敦子、杉山滋 (農研機構・食総研・ナノバイオ工学ユニット)

P-153 **アルファルファ根粒菌の根粒形成における多剤排出ポンプの役割**

○江田志磨、三井久幸、南澤究 (東北大院・生命科学)

P-154 **枯草菌の胞子の発芽とコートのアセンブリーに関する新規極小タンパク質**

○児玉武子<sup>1,2</sup>、松林武<sup>1</sup>、柳原淳良<sup>1</sup>、古本浩之<sup>1</sup>、荒勝俊<sup>2</sup>、尾崎克也<sup>2</sup>、桑名利津子<sup>3</sup>、今村大輔<sup>3</sup>、高松宏治<sup>3</sup>、渡部一仁<sup>3</sup>、関口順一<sup>1</sup> (<sup>1</sup>信州大院、<sup>2</sup>花王・生物研、<sup>3</sup>摂南大・薬)

P-155 **3種類の次世代シーケンサの機能比較**

○鈴木真吾<sup>1</sup>、小野直亮<sup>1</sup>、古澤力<sup>1</sup>、インヴェイエン<sup>1</sup>、四方哲也<sup>1,2,3</sup> (<sup>1</sup>阪大院・情報科学、<sup>2</sup>阪大院・生命機能、<sup>3</sup>JST・ERATO・四方プロジェクト)

P-156 **タイムラグを考慮した大腸菌統合オミックス解析**

○高橋弘喜<sup>1</sup>、森岡涼子<sup>2</sup>、伊藤遼佑<sup>1</sup>、大島拓<sup>1</sup>、小笠原直毅<sup>1</sup>、金谷重彦<sup>1</sup> (<sup>1</sup>奈良先端大院、<sup>2</sup>産総研)

P-157 **比較ゲノムブラウザ GMV/GMV2 の開発**

○長名保範 (成蹊大)

P-158 **微生物ゲノム完全長決定支援ソフトウェア 454Finisher(仮)**

○大坪嘉行、永田裕二、津田雅孝 (東北大院・生命科学)